

中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

关于举办“中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会第十一次 全国会员代表大会暨第二十三次全国动物遗传育种学术讨论会”的 通知（第四轮）

2025年7月2日

尊敬的各位会员、专家、同行：

根据中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会理事会的决定，于2025年7月9-13日在黑龙江省哈尔滨市召开“中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会第十一次全国会员代表大会暨第二十三次全国动物遗传育种学术讨论会”，同期召开“盛志廉先生诞辰100周年纪念大会”。大会由中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会主办，东北农业大学承办，诚挚邀请各位参加本次会议。

本次会议以加快推进种业振兴行动为目标，届时将汇聚国内外从事动物遗传育种教学、科研和生产的专家、学者及技术人员，从学术研究、种业创新技术和未来发展战略等不同层面，共同研讨动物遗传育种领域科研教学、学科建设、人才培养的最新进展和未来趋势，展示当前国内外本领域最前沿的研究进展、成果和方向，为我国畜牧业高质量发展提供科技、人才支撑，并致力为国内外动物遗传育种领域同行打造开放交流平台。本次会议将是国内动物遗传育种领域的一次学术盛会，也是缅怀、纪念和学习为中国动物遗传育种创新发展做出重大贡献的前辈科学家的大会。现将有关事项通知如下：

一、大会组织机构

主办单位：中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

承办单位：东北农业大学

大会主席：黄路生、杨宁

二、大会学术委员会

主席：黄路生、杨宁

成员：李辉、赵书红、陈国宏、潘玉春、罗军、李俊雅、聂庆华、李明洲、刘剑锋、孙东晓、王彦芳、方美英、张哲、李碧春、俞英、张慧、孙从佼、韩红兵、赵福平、刘小磊、连玲、韩博

三、大会组织委员会

主任：刘忠华、刘剑锋

成员：李辉、孙东晓、张慧、姚玉昌、孙从佼、徐光君、董娜、栾松、焦阳、
张攀、殷志明、杨秀芹

四、盛志廉先生诞辰100周年纪念会组织委员会

主任：刘忠华、陈瑶生、刘娣

成员：徐光君、董娜、栾松

徐士忠、潘玉春、郭春华、芒来、张志武、杨润清、连正兴、王希彪、赵书红

联络员：姚玉昌、杨秀芹、何鑫淼、狄生伟、张冬杰

五、会议主题

创新引领生物育种新质生产力

六、会议内容

1.全国会员代表大会：回顾总结分会工作，换届选举中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会第十一届理事会成员。

2.大会报告：大会邀请国内外知名专家和学者，就数量遗传学、基因组学、群体遗传学、分子遗传学、功能基因组学、生物信息学、系统生物学、生物技术与信息技术智能设计育种等新型交叉学科、畜禽遗传资源保护与利用、畜禽遗传改良与种质自主创新等学科方向的新理论、新方法、新技术、新成果进行专题报告与讨论。

3.纪念盛志廉先生报告会、纪念仪式和座谈会：报告会邀请国内外知名专家和学者，就盛志廉学术成果，以及数量遗传学、群体遗传学等学科方向进行专题报告。纪念仪式和座谈会邀请学会和业界同仁，共同学习先生的科学精神，缅怀先生为畜牧学学科和动物育种发展努力奋斗的光辉一生。

4.分组报告：组委会根据提交论文情况按畜种和研究领域分组进行报告讨论。

5.墙报展示：对动物遗传育种领域最新研究成果、重要学术论文、主要产品及其相关发明专利进行宣传。

6.新技术、新产品展览：动物遗传育种、生物技术相关的仪器设备以及种畜禽新产品和新成果展示。

七、会议安排

会议时间：2025年7月9日全天报到，10-12日正式会议，13日离会。

会议地点：哈尔滨国际会议中心（华旗饭店）

黑龙江省哈尔滨市南岗区红旗大街301号

八、会议日程

日期	时间	会议内容	地点
7月9日	09:00-22:00	参会代表报到	华旗饭店 (哈尔滨国际会议中心5号门, 1楼大厅)
	20:00-21:00	分会第十届理事会会议	408+410+412
7月10日	08:30-09:15	大会开幕式	礼堂V1-V3厅
	09:15-12:00 (大会特邀报告)	赵书红 教授, 华中农业大学: 猪基因组选种选配技术创新与育种应用	礼堂V1-V3厅
		徐士忠 教授, 美国加利福尼亚大学河滨分校: 数字育种	
		张慧 教授, 东北农业大学: 整合多组学解析肉鸡腹脂沉积的分子调控机制	
		姜雨 教授, 西北农林科技大学: 牛羊全变异图谱插补面板的构建与应用	
		孙东晓 教授, 中国农业大学: 奶牛多组织单细胞转录组图谱及遗传解析	
	12:00-13:30	自助午餐	华旗饭店4处餐厅
	14:00-18:00 (分论坛报告)	纪念盛志廉先生学术报告会	环球102剧场
		猪遗传育种	环球101剧场
		家禽遗传育种	礼堂V1+V2厅
		草食动物遗传育种	礼堂V3厅
		基因组选择与统计基因组	408+410+412
14:00-18:00 (青年科学家交流会)	国家重点研发计划畜禽种业青年科学家交流会	华旗饭店 301+302	
18:00-19:30	自助晚餐	华旗饭店4处餐厅	
20:00-21:00	分会第十一届理事会会议	408+410+412	
7月11日	08:30-12:00 (研究生报告)	猪遗传育种	环球101剧场
		家禽遗传育种	礼堂V1+V2厅
		草食动物遗传育种	环球102剧场
		统计基因组与生物信息	408+410+412
		功能基因组与生物技术	礼堂V3厅
	09:30-12:00	缅怀盛志廉先生纪念活动	东北农业大学动物科学技术学院
	12:00-13:30	自助午餐	华旗饭店4处餐厅

	14:00-18:00 (分论坛报告)	猪遗传育种	环球101剧场
		家禽遗传育种	礼堂V1+V2厅
		草食动物遗传育种	环球102剧场
		整合组学与动物遗传育种	礼堂V3厅
		畜禽基因编辑 (14:00-16:30)	408+410+412
		动物遗传育种教学研讨会 (16:50-18:00)	
	18:00-19:30	自助晚餐	华旗饭店4处餐厅
7月12日	08:30-11:00 (大会特邀报告)	赵桂苹 研究员, 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所: 自主白羽肉鸡品种培育与技术进展	礼堂V1-V3厅
		张哲 教授, 华南农业大学: 整合多组学解析猪复杂性状遗传调控	
		唐中林 研究员, 中国农业科学院农业基因组研究所: 猪产肉性状形成的多组学解析	
		田亚东 教授, 河南农业大学: 地方鸡重要经济性状遗传基础解析与育种芯片开发	
		张志武 教授, 美国华盛顿州立大学: Challenges and Opportunities in Research and Teaching of Statistical Genomics in the Era of Artificial Intelligence	
	赵云翔 总监, 广西扬翔股份集团有限公司: 扬翔种猪育繁推一体化育种体系构建		
	11:00-12:00	大会闭幕式	礼堂V1-V3厅
12:00-13:30	自助午餐	华旗饭店4处餐厅	
7月13日	06:00-12:00	离会	

分论坛报告

纪念盛志廉先生学术报告会

时间：2025年7月10日 14:00-18:00 地点：环球102剧场

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
李加琪 教授 华南农业大学 白东义 教授 内蒙古农业大学	14:00-14:20	徐士忠 教授	美国加利福尼亚 大学河滨分校	单元内同胞相关法和限制极大似然 法估计遗传参数
	14:20-14:40	陈瑶生 教授	中山大学	守正创新夯实种猪育种根基
	14:40-15:00	潘玉春 教授	浙江大学	猪基因组保护
	15:00-15:20	芒来 教授	内蒙古农业大学	传承盛先生种业创新思想，谈中国 马种遗传资源保护与利用
杨秀芹 教授 东北农业大学	15:20-15:40	杨润清 研究员	中国水产科学研 究院	STROLLS: 对大规模基因组关联分 析的快速基因组控制
	15:40-16:00	刘娣 教授	黑龙江省农业科 学院	传承盛先生精神，我国地方猪种资 源保护利用的实践
史海涛 教授 西南民族大学	16:00-16:20	连正兴 教授	中国农业大学	MSTN和FGF5双基因突变通过 FOSL1途径诱发肌纤维增生与变细
	16:20-16:40	茶歇		
狄生伟 副教授 东北农业大学 李岩 助理研究员 中国军事医学研 究院	16:40-17:00	赵云翔 教授	广西大学	种猪智能化大数据育种体系实践
	17:00-17:20	王起山 教授	浙江大学	家养动物单体型TWAS方法开发
	17:20-17:40	张冬杰 研究员	黑龙江省农业科 学院	民猪抗寒特性的遗传机制研究
	17:40-18:00	刘小磊 教授	华中农业大学	猪大数据遗传评估算法工具创新

猪遗传育种

时间：2025年7月10日 14:00-18:10 地点：环球101剧场

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
潘玉春 教授 浙江大学	14:00-14:30	魏红江 教授	云南农业大学	猪和鸡基因编辑技术体系的建立 及应用
	14:30-14:50	周翔 教授	华中农业大学	转录后调控介导宿主抗蓝耳病的 分子遗传机制研究
刘红林 教授 南京农业大学	14:50-15:10	于太永 教授	西北农林科技大学	基于八眉猪T2T基因组解析地方 猪优异性状遗传基础
	15:10-15:30	谢海兵 副研究员	中科院昆明动物所	家猪杂交效应形成的基因组调控 机制

	15:30-15:50	邓娟 副教授	四川农业大学	猪胃全景细胞图谱及其时空表达谱变异模式解析
	15:50-16:10	茶歇		
潘玉春 教授 浙江大学 刘红林 教授 南京农业大学	16:10-16:30	杜恒 副教授	中国农业大学	基于大规模基因组测序对中国地方猪种质遗传特征的解析及应用
	16:30-16:50	林育 助理研究员	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	转座子来源的增强子调控ELOVL5基因在猪脂肪组织中的表达
	16:50-17:10	谢磊 博士后	江西农业大学	猪1号染色体调控背膘厚度的因果基因解析及其对分割肉多部位的影响检测
	17:10-17:30	孙泽文 博士后	崖州湾国家实验室	基于SLC13A1基因调控猪骨骼发育改良的育种新策略
	17:30-17:50	姜涛 博士后	江西农业大学	猪全基因组调控元件鉴别及其转座元件的功能注释
	17:50-18:10	吴家劲 博士后	华南农业大学	细胞间通讯驱动细胞类型特异性印记形成

家禽遗传育种

时间：2025年7月10日 14:00-18:00 地点：礼堂V1+V2厅

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目
蒋思文 教授 华中农业大学 陈国宏 教授 扬州大学	14:00-14:20	李世军 教授	华中农业大学	母鸡储精能力的研究
	14:20-14:40	尹华东 教授	四川农业大学	USP9X-Beclin1信号轴调控鸡卵泡颗粒细胞铁死亡的分子机制研究
	14:40-15:00	罗文 副教授	华南农业大学	鸡的驯化和人工选择影响生长与肉质风味的多组学视点
	15:00-15:20	高广亮 副研究员	重庆市畜牧科学院	基于多组学数据的鹅主要经济性状候选基因与分子标记筛选
	15:20-15:40	牟芳 讲师	东北农业大学	选择性多聚腺苷酸化调控鸡PPAR γ 基因表达和功能的研究
	15:40-16:00	李建波 助理研究员	广东省农业科学院农业生物基因研究中心	雌激素介导鸡胚胎性反转的表观遗传机制研究
	16:00-16:20	茶歇		
蒋思文 教授 华中农业大学	16:20-16:40	冯春刚 教授	南京农业大学	鸽子基因组学及遗传育种研究
陈国宏 教授 扬州大学	16:40-17:00	李东华 副教授	河南农业大学	多组学整合分析揭示浙川乌骨鸡乌度性状的分子机制

	17:00-17:20	王坤 副教授	云南农业大学	基于云南地方鸡构建的F2资源群胸肌发育全基因组关联研究
	17:20-17:40	刘大鹏 助理研究员	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	AADAT调控鸭胸肌肌内脂肪含量的遗传机制解析
	17:40-18:00	张俊楠 博士后	中国农业大学	基于多组学揭示老年蛋鸡繁殖性能下降的遗传调控机制

草食动物遗传育种

时间：2025年7月10日 14:00-18:10 地点：礼堂V3厅

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
吕文发 教授 吉林农业大学 李喜和 教授 内蒙古大学	14:00-14:30	张坤 研究员	浙江大学	牛早期胚胎发育的遗传调控
	14:30-14:50	贺三刚 研究员	浙江省农业科学院畜牧兽医研究所	绵羊尾长性状的遗传基础及育种应用
	14:50-15:10	刘秋月 副研究员	中国科学院遗传与发育生物学研究所	湖羊高繁殖力与环境适应性的协同进化及其生物育种应用
	15:10-15:30	卢徐斌 副教授	扬州大学	中国南方奶牛耐湿热、高繁殖、长产奶年限育种新性状挖掘
	15:30-15:50	韩博 副教授	中国农业大学	基于单细胞转录组和ATAC组学技术解析奶牛乳腺泌乳调控机制
	15:50-16:10	茶歇		
吕文发 教授 吉林农业大学 李喜和 教授 内蒙古大学	16:10-16:30	周扬 副教授	华中农业大学	Beyond SNPs: The role of structural variants in global cattle diversity, adaption and selective breeding using pangenome
	16:30-16:50	占思远 副教授	四川农业大学	山羊骨骼肌发育相关功能基因挖掘及其作用机制
	16:50-17:10	韩步鹰 助理研究员	中国科学院西北高原生物研究所	藏羊重要繁殖性状候选基因挖掘与调控机制研究
	17:10-17:30	尹彤 博士后	浙江省奶牛遗传改良与乳品质研究重点实验室	南方部分牧场奶牛常规遗传评估体系及选择指数构建
	17:30-17:50	陈思倩 博士后	中国农业大学	奶牛金葡萄菌乳房炎的表观遗传调控网络解析及功能验证
	17:50-18:10	裴颢 创始人兼CEO	墨卓生物科技(浙江)有限公司	单细胞测序在育种上的研究

基因组选择与统计基因组

时间：2025年7月10日 14:00-17:50 地点：408+410+412

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
胡晓湘 教授 中国农业大学 赵福平 研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	14:00-14:30	杨润清 教授	中国水产科学研究院	动物GWAS与GS算法的系统创新
	14:30-14:50	何俊 教授	湖南农业大学	整合 mRNA 转录本信息的猪基因组选择方法
	14:50-15:10	朱砺 教授	四川农业大学	破解育种计算瓶颈：IF-BLUP引领百万级超大规模基因组选择新时代
	15:10-15:30	朱波 副研究员	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	整合生物学信息的肉牛全基因组选择研究
	15:30-15:50	蔡文涛 副研究员	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	基于分子表型的肉鸭基因组选择方法研究和软件开发
	15:50-16:10			茶歇
胡晓湘 教授 中国农业大学 赵福平 研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	16:10-16:30	宋海亮 副研究员	北京市农林科学院	基于深度自编码压缩的全基因组测序数据基因组预测方法
	16:30-16:50	王子帅 副研究员	中国农业科学院农业基因组研究所	LGSAgent: 一种大语言模型驱动的畜禽基因组选择育种智能体
	16:50-17:10	唐振双 博士后	崖州湾国家实验室	IFAM: 一种利用大规模基因组注释信息提高猪复杂性状基因组选择准确性的方法
	17:10-17:30	史良玉 讲师	武汉轻工大学	猪繁殖性状的近交衰退基因组特征研究
	17:30-17:50	钱长嵩 总经理	博瑞迪动物事业部总经理	测序数据在统计遗传分析和动物育种中的应用

学术星辰 - 研究生报告

猪遗传育种

时间：2025年7月11日 8:30-12:00 地点：环球101剧场

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
包文斌 教授 扬州大学 李平华 教授 南京农业大学	8:30-8:40	唐迪	广西大学	整合长读长数据发现结构变异驱动的中西方猪种间基因渗入研究
	8:40-8:50	谷圣臣	华南农业大学	多组学联合解析m6A调控猪妊娠早期胚胎自发丢失的分子机制
	8:50-9:00	郑帅龙	华中农业大学	基于多组学数据解析中国地方猪与瘦肉型猪早期肌纤维差异的遗传机制
	9:00-9:10	杨桓	南京农业大学	猪的细胞、细胞系和组织的转录组基

				因表达异性和共性分析
	9:10-9:20	陈佳仪	山西农业大学	ACSL6通过铁死亡调控猪肌肉脂肪沉积的机制研究
	9:20-9:30	何凡	石河子大学	miR-192介导猪滋养层细胞m6A修饰的机制及功能研究
	9:30-9:40	雷宇航	四川农业大学	Molecular mechanism of tRF-Gly in regulating fat deposition
	9:40-9:50	刘莎	武汉轻工大学	基于全基因组关联分析鉴定阳新猪肋骨数相关结构变异
	9:50-10:00	陈晓晨	西北农林科技大学	基于多组学探究miR-130a-5p靶向APOE调控猪卵巢颗粒细胞类固醇激素合成的作用及机制研究
	10:00-10:10	聂靖茹	中国农业大学	基于单细胞核转录组测序解析猪肌肉发育细胞图谱
	10:10-10:20	茶歇		
包文斌 教授 扬州大学 李平华 教授 南京农业大学	10:20-10:30	杨淳怀	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	单唾液酸神经节苷脂通过影响脂肪细胞早期克隆增殖负调控猪背膘沉积
	10:30-10:40	冯芷汀	中山大学	整合蛋白质组学和转录组学分析猪骨骼肌不同部位肌纤维类型动态变化
	10:40-10:50	纪辉	广西大学	整合全基因组关联分析及选择信号鉴定影响猪主要经济性状的关键基因
	10:50-11:00	林清	华南农业大学	Multi-breed genome-wide association study meta-analysis deciphers the genetic architecture of semen quality in pig
	11:00-11:10	梁浩	华中农业大学	猪繁殖性状低密度标记开发及其在基因组选择中的应用
	11:10-11:20	许黎明	南京农业大学	全基因组关联分析鉴别影响大白猪纤维表观消化率的候选基因
	11:20-11:30	杨祎挺	四川农业大学	单核转录组解析不同海拔和不同时期猪肺组织的低氧适应性
	11:30-11:40	袁甜甜	西北农林科技大学	整合景观基因组学与转录组学挖掘猪强适应性候选基因
	11:40-11:50	杨金艳	中国农业大学	猪外周血单个核细胞与中性粒细胞特异性分子数量性状位点揭示猪免疫性状的遗传调控机制
	11:50-12:00	章灵燕	华中农业大学	AKR1A1基因调控猪脂肪沉积和脂肪酸组成的研究

家禽遗传育种

时间：2025年7月11日 8:30-12:00 地点：礼堂V1+V2厅

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目	
刘冉冉 研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所 李转见 教授 河南农业大学	8:30-8:40	靳佳铭	中国农业大学	鸡在不同海拔下共生微生物群与宿主基因组的协同适应	
	8:40-8:50	刘沛昊	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	整合代谢表型组解析白羽肉鸡死亡率性状的遗传基础	
	8:50-9:00	郭海山	河南农业大学	单细胞转录组揭示鸡精子发生的动态路线图	
	9:00-9:10	涂俊豪	湖南农业大学	Unraveling Sexual Dimorphism in Broiler Abdominal Fat Through Single-cell and Bulk Transcriptomics	
	9:10-9:20	吴懿雯	华中农业大学	蛋鸡耐热性指标的筛选及其遗传基础解析	
	9:20-9:30	倪弘煜	吉林大学	多组学联合分析揭示SLIT2基因对杂交鹅肌肉发育的影响	
	9:30-9:40	谢恒利	四川农业大学	鸭肉风味差异及其调控机制的研究	
	9:40-9:50	杨春彦	扬州大学	基于单细胞转录组探究影响鸭不同部位脂肪沉积的差异调控机制	
	9:50-10:00	刘洪飞	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	肉鸭皮下脂肪沉积的遗传调控网络解析	
	10:00-10:10	高铭悦	中国农业大学	基于多组织转录组数据解析蛋鸡衰老过程生产性能下降的调控机制	
	10:10-10:20				茶歇
	刘冉冉 研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所 李转见 教授 河南农业大学	10:20-10:30	霍 振	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	北京鸭胚胎期胸肌与腿肌生长发育差异调控机制研究
10:30-10:40		罗永全	仲恺农业工程学院	DNA甲基化介导的调控鹅胚成肌细胞增殖分化的ncRNA-mRNA网络筛选鉴定	
10:40-10:50		孙云霄	中国农业大学	基于单细胞转录组测序构建北京鸭胚胎期骨骼肌动态发育图谱	
10:50-11:00		席 洋	四川农业大学	基于分子QTL解析鸭产蛋性能的遗传调控机制	
11:00-11:10		侯俊杰	东北农业大学	基于脂质组学探究AA鸡与林甸鸡胸肌脂质分子差异	
11:10-11:20		李艳慧	河北农业大学	利用时间序列用WGCNA挖掘影响海兰灰公鸡繁殖性能的功能基因	

	11:20-11:30	吴俊锋	中国农业大学	整合多组学数据解析鸡蛋内血肉斑发生的遗传机制
	11:30-11:40	宗云鹤	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	蛋白质修饰组学揭示鸡精子抗冻性状调控机制研究
	11:40-11:50	张力允	仲恺农业工程学院	鹅短串联重复序列及其与体重体尺性状的关联分析
	11:50-12:00	陈艳茹	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	整合多组学方法筛选白羽肉鸡胸肌异质肉相关脂质和基因

草食动物遗传育种

时间：2025年7月11日 8:30-12:00 地点：环球102剧场

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
王维民 教授 兰州大学 李聪 副教授 西北农林科技大学	8:30-8:40	叶海波	安徽农业大学	基于单细胞与空间转录组解析母猪卵巢颗粒细胞黄体化的分子机制
	8:40-8:50	冯达	广东海洋大学	全基因组重测序解析雷州山羊群体遗传多样性和群体结构
	8:50-9:00	梁金鑫	吉林省农业科学院	基于图像融合的高通量羊生产性能测定研究
	9:00-9:10	蒋影影	江苏省农业科学院畜牧研究所	整合多组学揭示徐州牛瘤胃关键微生物及其代谢物调控日增重表型的分子机制
	9:10-9:20	程江博	兰州大学	A Single-Cell Atlas of Sheep White Adipose Tissue and Cellular Heterogeneity in Tail Fat Development
	9:20-9:30	刘志鹏	南京农业大学	IGF2BP1 Variation and m6A Modification Cooperatively Modulate Growth and Development in Goats
	9:30-9:40	戎友俊	内蒙古农业大学	内蒙古绒山羊绒毛性状全基因组关联分析揭示新候选基因与单倍型
	9:40-9:50	王思宇	宁夏大学	转录组与蛋白质组的整合分析揭示杜泊羊毛囊发育的分子机制
	9:50-10:00	方钱海	中国农业大学	基于纵向动态转录组揭示奶牛生长发育分子机制
	10:00-10:10	肖展军	四川农业大学	多组学分析揭示BACE2与牛的高海拔适应
	10:10-10:20			

王维民 教授 兰州大学 李聪 副教授 西北农林科技大学	10:20-10:30	阎卉萱	西北农林科技大学	青藏高原黄牛的父亲和母系遗传多样性研究
	10:30-10:40	钟朝崧	西南民族大学	山羊ZNF32对肌内前体脂肪细胞增殖和成脂分化的调节作用及机制研究
	10:40-10:50	卢东升	扬州大学	丙酰肉碱调控HSD17B4促进奶牛乳腺上皮细胞C15:0合成的分子机制
	10:50-11:00	张娜	中国科学院遗传与发育生物学研究所	绵羊产羔性状主效基因鉴定及调控机理解析
	11:00-11:10	邢悦	中国农业大学	热灭活金黄色葡萄球菌对奶牛乳腺上皮细胞先天免疫反应的时序研究
	11:10-11:20	张明昊	中国农业科学院兰州畜牧与兽药研究所	甘南牦牛生长性状相关基因筛选
	11:20-11:30	董春晓	宁夏大学	中国西门塔尔牛产奶性状与体细胞评分的遗传参数估计及全基因组关联分析
	11:30-11:40	王佳佳	四川农业大学	Integrated Multi-omics Reveals Potential Regulatory Mechanisms of Meat Quality: FASN-Mediated Butanoyl-CoA Biosynthesis and ALDOC, PFKL, PGAM1, and SDS-Driven Citrulline Metabolic Flux
	11:40-11:50	张欢欢	西北农林科技大学	基于古今基因组揭示绵羊脂尾性状的起源与遗传基础
	11:50-12:00	陈佳华	中国农业大学	基于血液转录组数据挖掘影响奶牛受胎率性状的关键基因及调控通路

统计基因组与生物信息

时间: 2025年7月11日 8:30-12:00 地点: 408+410+412

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
唐中林 研究员 中国农业科学院农业基因组研究所 金龙 教授 四川农业大学	8:30-8:40	李厚诚	奥胡斯大学	An atlas of cell type specific regulatory effects in cattle
	8:40-8:50	朱麟溪	北京畜牧兽医研究所	IASML: 一款基于机器学习的基因组选择软件及其云平台开发
	8:50-9:00	罗小雨	西北农林科技大学	Adaptive evolution in indigenous East Asian cattle is driven by a mosaic of introgressed and background genetic variants

	9:00-9:10	王群仆	中国农业大学	从多组织基因表达数据中优化鸡基因型重建的策略
	9:10-9:20	杨彦达	湖南农业大学	Integrating Transcriptomics and Machine Learning to Reveal Regional Immune Mechanisms and Key Genes in the Pig Liver
	9:20-9:30	许方军	华中农业大学	STCG: Stochastic Trace Estimator and Conjugate Gradient Algorithm Facilitate Genomic Analyses on Large-scale Repeated Measure Data
	9:30-9:40	杨启蒙	西北农林科技大学	SVLearn: 一种双参考机器学习方法实现结构变异的精准跨物种基因分型
	9:40-9:50	张美琳	中国农业大学	用于品种多样性评估和祖先推断的高通量SNP筛选方法
	9:50-10:00	张旭光	山东农业大学	基于机器学习方法对大白猪进行全基因组选择
	10:00-10:10	杨鸽	西北农林科技大学	391头中国家驴全基因组重测序分析揭示其群体遗传结构及适应性特征选择信号
	10:10-10:20			
唐中林 研究员 中国农业科学院农业基因组研究所 金龙 教授 四川农业大学	10:20-10:30	张彩云	上海交通大学	基于图形泛基因组的大白猪群体结构变异关联分析
	10:30-10:40	杨喜堤	四川农业大学	GenoFuse: A Dual-Stream Deep Learning Framework for Enhanced Genomic Selection through Adaptive Multi-Scale Feature Fusion
	10:40-10:50	叶雯	中国农业大学	奶牛乳腺批量转录组的细胞反卷积方法的性能比较
	10:50-11:00	李响	西北农林科技大学	猪基因组结构变异面板构建及优势性状相关候选基因挖掘
	11:00-11:10	谭涛涛	长江大学	KAN-CNN-GS: 复杂性状遗传解析与基因组选择的可解释深度学习框架
	11:10-11:20	蔡新宇	中国农业大学	基因组分析揭示中国家鸡早期驯化的两条扩散轨迹
	11:20-11:30	何嘉毅	浙江大学海南研究院	转座子表达定量工具LocaTE的开发及其在TE-eQTL上的应用

	11:30-11:40	朱迪	中国农业大学	基于鸡产蛋阶段GTE _x 资源解析繁殖性状遗传调控机制
	11:40-11:50	郭应威	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	基于机器学习的普通牛品种鉴定与血统比例分析工具的开发
	11:50-12:00	彭宸	浙江大学海南研究院	基于泛基因组的文昌鸡结构变异挖掘与育种芯片开发

功能基因组与生物技术

时间：2025年7月11日 8:30-12:00 地点：礼堂V3厅

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
韩建永 教授 中国农业大学 常国斌 教授 扬州大学	8:30-8:40	冯瑞	西北农林科技大学	细菌感染性乳腺炎基因编辑抗病育种新策略研发和关键靶点解析
	8:40-8:50	周佳美	东北农业大学	鸡脂肪生成关键分泌蛋白的鉴定及其功能研究
	8:50-9:00	杨梦丽	宁夏大学	Exploring candidate genes for intramuscular fat deposition related RNA m5C modification based on RNA-BS-seq
	9:00-9:10	赵梓昊	四川农业大学	m6A-circGFM1调控山羊MuSCs分化的机制
	9:10-9:20	刘金璐	扬州大学	鸭Src靶向PHB1和PHB2正向调节RIG-I介导的IFN- β 产生
	9:20-9:30	宋宜泽	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	LNC_004268通过hnRNPK增强CNOT2稳定性调控绵羊成肌细胞增殖与分化
	9:30-9:40	张鸿彬	广东省农科院动物科学研究所	利用基因编辑方案制备无内源性生殖细胞的不育系代孕鸡
	9:40-9:50	张志远	河南农业大学	lncRNA-7896在乌骨鸡乌度性状形成中的功能研究
	9:50-10:00	张莉	湖南农业大学	HSP72 alleviates heat stress-induced oxidative damage in boar Sertoli cells through modulating the AGE-RAGE/NOX4/NF- κ B axis
	10:00-10:10	王雯竞	华南农业大学	Roles and regulatory mechanisms of RLIM on lactation
10:10-10:20				茶歇

<p>韩建永 教授 中国农业大学</p> <p>常国斌 教授 扬州大学</p>	10:20-10:30	梅子	华中农业大学	热应激血浆外泌体通过miR-30c-5p/USP2轴激活P53通路诱导鸡肝细胞损伤
	10:30-10:40	刘月	吉林大学	牛脂肪细胞来源外泌体的功能研究及关键miRNA的鉴定
	10:40-10:50	吴刚	南京农业大学	从代谢修饰到生殖调控: FSH通过组蛋白H4K5乳酸化修饰驱动卵巢颗粒细胞线粒体生物发生的机制
	10:50-11:00	豆雅晴	宁夏大学	A novel lncRNA TLCD2-AS exacerbates the inflammatory response of bovine mammary epithelial cells by targeting the miR-320b/TLR4 axis
	11:00-11:10	王首元	山西农业大学	ODC1调控脂肪沉积的作用及机制研究
	11:10-11:20	赵锡宇	四川农业大学	miR-210a-5p通过靶向RASL11B/Raf/MAPK通路调控蛋鸡子宫衰老的联合组学研究
	11:20-11:30	石闪闪	天津农学院	牛circAAGAB的鉴定及在肌肉发育过程中的功能预测
	11:30-11:40	薛晓姝	安徽农业大学	Histone H3K18 Lactylation Promotes the Activation of the Anti-inflammatory Gene SLA-DRB1 in the Mycoplasma hyopneumoniae Infection
	11:40-11:50	曹越	扬州大学	Samd5通过抑制天然免疫反应促进猪圆环病毒2型复制的作用及机制研究
	11:50-12:00	杜洪峰	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	鸡卵巢冷冻保存效果评估和移植复原活体

分论坛报告

猪遗传育种

时间：2025年7月11日 14:00-17:50 地点：环球101剧场

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
李明洲 教授 四川农业大学 王彦芳 研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	14:00-14:30	王恒 教授	山东农业大学	猪棕色脂肪谱系缺失的分子机制和肌肉脂肪的染色质调控策略
	14:30-14:50	王海燕 副教授	华中农业大学	基于激光雷达和点云分割模型的猪体尺测量方法研究
	14:50-15:10	顾婷 副教授	华南农业大学	超级增强子介导染色质三维互作调控肌纤维类型分化及转化的机制
	15:10-15:30	白立景 副研究员	中国农业科学院农业基因组研究所	欧亚野猪种群演化与地域适应性的基因组学基础
	15:30-15:50	姚一龙 助理研究员	中国农业科学院农业基因组研究所	多组学数据解析非编码RNA通过液-液相分离调控猪骨骼肌发育的机制研究
	15:50-16:10	茶歇		
李明洲 教授 四川农业大学 王彦芳 研究员 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	16:10-16:30	吴钟紫 博士后	江西农业大学	千猪基因组全类别结构变异图谱及其对多组织基因表达的影响
	16:30-16:50	杨晓阳 博士后	中国农业大学	温度与基因协同作用下猪小体型性状形成的分子调控机制解析
	16:50-17:10	童献 博士后	中山大学	HMGB2+纤维脂肪祖细胞在骨骼肌脂肪沉积和体内平衡中的调节作用
	17:10-17:30	陈小芸 博士	江西农业大学	猪妊娠期跨49个器官的巨噬细胞基因表达分析：单细胞分辨率下的免疫微环境异质性
	17:30-17:50	朱世林 董事长	武汉万摩科技有限公司	基于基因测序的种质资源解决方案

家禽遗传育种

时间：2025年7月11日 14:00-18:00 地点：礼堂V1+V2厅

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
聂庆华 教授 华南农业大学 侯卓成 教授 中国农业大学	14:00-14:20	李显耀 教授	山东农业大学	鸡空肠弯曲菌感染的调控作用
	14:20-14:40	束婧婷 研究员	江苏省家禽科学研究所	黄羽肉鸡毛囊性状的表型采集及分子遗传机理研究
	14:40-15:00	李竞一 副教授	华中农业大学	产蛋时间的遗传基础与其在蛋鸡育种中的潜在应用
	15:00-15:20	张博 副教授	中国农业大学	鸡产蛋数性状与卵泡发育调控遗传解析
	15:20-15:40	龚海洲 讲师	扬州大学	从蛋鸡基因组SNP到开产性状：探讨肠道菌群在其中的角色

	15:40-16:00	杨欣婷 博士后	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	基于多品种T2T基因组组装的鸡驯化与改良全景变异特征解析
	16:00-16:20	茶歇		
聂庆华 教授 华南农业大学 侯卓成 教授 中国农业大学	16:20-16:40	屠云洁 研究员	江苏省家禽科学研究所	全基因关联分析筛选鸡冠相关分子标记
	16:40-17:00	石雷 副教授	河北农业大学	鸡交叉喙性状候选基因筛选及调控机制研究
	17:00-17:20	程博涵 副教授	东北农业大学	鸡前脂肪细胞分化中TCF21互作蛋白的筛选、鉴定及功能分析
	17:20-17:40	葛晶 讲师	扬州大学	HDLBP通过调控线粒体功能和脂肪沉积参与脂肪肝形成的机制研究
	17:40-18:00	刘旭佳 总监	格致博雅生物科技有限公司	海量多组学数据赋能畜禽生物育种

草食动物遗传育种

时间：2025年7月11日 14:00-17:50

地点：环球102剧场

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目
阎萍 研究员 中国农业科学院兰州畜牧与兽药研究所 李孟华 教授 中国农业大学	14:00-14:30	赵永聚 教授	西南大学	山羊早期胎盘发育中鸟嘌呤核苷酸释放蛋白3RASGRP3的表达规律与调控机制
	14:30-14:50	乐祥鹏 教授	兰州大学	湖羊睾丸大小性状特征及遗传机制解析
	14:50-15:10	陈宁博 副教授	西北农林科技大学	Identification of genetic variants in cis-regulatory elements of the bovine genome
	15:10-15:30	张志鹏 副教授	扬州大学	奶牛一般抗病力免疫标志筛选与功能机制研究
	15:30-15:50	胡文萍 副研究员	中国农业科学院北京畜牧兽医研究所	新型基因编辑底盘工具的研发、改进与绵羊生物育种
	15:50-16:10	茶歇		
阎萍 研究员 中国农业科学院兰州畜牧与兽药研究所 李孟华 教授 中国农业大学	16:10-16:30	王志英 副教授	内蒙古农业大学	基于加性-显性效应 GWAS 先验信息的内蒙古绒山羊重要经济性状的基因组选择研究
	16:30-16:50	王晓 副研究员	山东省农业科学院畜牧兽医研究所	Link metabolomic phenotypes to regulatory variants to understand molecular mechanism underlying milk production traits in cattle
	16:50-17:10	沈阳阳 助理研究员	江苏省农业科学院畜牧研究所	水牛泛多组学数据库构建及生长调控基因挖掘研究
	17:10-17:30	艾越 博士后	中国农业大学	ENO1通过非糖酵解途径抑制骨骼肌细胞分化
	17:30-17:50	胡豆 总经理	华大智造	全流程智能化设备在分子育种和食药环上产研应用

整合组学与动物遗传育种

时间：2025年7月11日 14:00-18:00 地点：礼堂V3厅

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目
张哲 教授 华南农业大学 房灵昭 助理教授 丹麦奥胡斯大学	14:00-14:30	房灵昭 助理教授	奥胡斯大学	The FarmGTEEx project for precision agriculture and medicine
	14:30-14:45	滕金言 副教授	华南农业大学	OmiGA: 高性能分子表型遗传分析工具包
	14:45-15:00	王维民 教授	兰州大学	绵羊多维表观基因组图谱构建及其应用
	15:00-15:15	龚 冕 博士后	中国农科院北京畜牧兽医研究所	A multi-tissue atlas of genetic regulatory effects in sheep
	15:15-15:30	李厚诚 博士	奥胡斯大学	An atlas of cell type specific regulatory effects in cattle
	15:30-15:45	张 哲 教授	浙江大学	基于肠道多组学的猪复杂性状遗传机制解析
	15:45-16:15	茶歇		
张哲 教授 华南农业大学 房灵昭 助理教授 丹麦奥胡斯大学	16:15-16:30	金 龙 教授	四川农业大学	猪骨骼肌全景多维转录图谱构建与解析
	16:30-16:45	尹忠涛 副教授	中国农业大学	利用多组学数据系统解析鸭家养化过程中主要经济性状形成的遗传机制
	16:45-17:00	张海涵 副教授	湖南农业大学	整合鸡多组织转录组解析性别偏移的遗传调控机制
	17:00-17:15	王宇哲 副教授	中国农业大学	ChickenGTEEx创建及其在鸡高产高繁性状遗传解析中的应用
	17:15-17:30	周 荣 副研究员	中国农科院北京畜牧兽医研究所	猪多组织发育图谱解析细胞类型分化的调控规律
	17:30-17:45	刘毓文 研究员	中国农科院深圳基因组研究所	高通量沉默子鉴定技术的开发及其在猪产肉性状遗传机制解析中的应用
	17:45-18:00	付玉华 研究员	华中农业大学	从ISwine到IAnimal: 多组学大数据整合知识库的构建与应用

畜禽基因编辑

时间：2025年7月11日 14:00-16:30 地点：408+410+412

主持人	时 间	报告人	单 位	报告题目
赵建国 研究员 中国科学院动物研究所 李碧春 教授 扬州大学	14:00-14:15	魏迎辉 教授	西北农林科技大学	新型基因编辑工具开发与羊新种质创制
	14:15-14:30	牛英杰 教授	扬州大学	原始生殖细胞基因编辑技术在家禽育种中的应用与展望
	14:30-14:45	李 果 副研究员	湘湖实验室	基因编辑技术开发驱动畜禽关键性状精准育种
	14:45-15:00	刘 旭 教授	西北农林科技大学	奶畜乳腺炎抗病育种

	15:00-15:15	胡团军 研究员	江苏农牧科技职业学院	原代生殖细胞技术在禽类冷冻保种和基因编辑家禽生产中的应用研究
	15:15-15:30	李绘娟 助理研究员	北京市农林科学院	Enhancing genome editing efficiency in goldfish (<i>Carassius auratus</i>) through utilization of CRISPR-Cas12a (Cpf1) temperature dependency
	15:30-15:45	高元鹏 副研究员	西北农林科技大学	奶牛抗结核病基因编辑育种研究
	15:45-16:00	黄雷 副研究员	中国农业科学院深圳农业基因组研究所	高效精准基因编辑体系驱动猪新种质创制
	16:00-16:15	王煜 博士后	中国科学院动物研究所	猪基因组高效碱基编辑与精准长片段整合
	16:15-16:30	王喜琼 博士后	中国农业大学	卵巢原位注射技术制备基因编辑鸡的研究
	16:30-16:50	茶歇		

动物遗传育种教学研讨会

时间：2025年7月11日 16:50-18:15 地点：408+410+412

主持人	时间	报告人	单位	报告题目
俞英 教授 中国农业大学	16:50-17:15	陈国宏 教授	扬州大学	重塑产教融合教学理念 培养新时代畜牧应用人才—家畜育种学课程教学实践探析
	17:15-17:35	杨秀芹 教授	东北农业大学	遗传学课程思政创新探索与实践
	17:35-17:55	赵永聚 教授	西南大学	数智赋能，育见未来——家畜育种学课程建设实践
	17:55-18:15	连玲 副教授	中国农业大学	基于数字教材和智慧课程构建动物遗传学个性化教学体系创新实践

九、墙报交流和口头报告

本次大会共遴选270余份论文进行墙报展览，内容丰富，展出时间为7月10至12日，欢迎各位代表前来交流。墙报规格要求：**90 cm (宽) *120 cm (高)**，请各位代表按要求自行打印墙报，于**2025年7月9日20:00**之前带至大会报到处，按给定编号贴挂于会议中心指定位置，并请墙报作者务必按指定时间留在墙报前解答会议代表提问与讨论。

本次会议共安排大会特邀报告11个、分论坛报告112个、研究生报告100个，分论坛报告加讨论不超过**20分钟**，研究生论坛报告加讨论不超过**10分钟**。PPT按**16:9**的比例制作。请报告人于**2025年7月6日**之前将PPT发送至邮箱yaoyc@neau.edu.cn，注明报告人、报告题目、分论坛报告或学生论坛报告，并注明所在的会场。以便会务组提前测试PPT放映情况，避免格式变化。

十、注册及费用

参会代表需在会议系统中进行注册，以便统计实际参会人员数量，合理安排会务，如因技术等原因无法进行网络注册，请与会务组联系。在线注册时间截止至7月9日。大会通知、注册程序、日程安排、酒店预订、材料下载等一站式集中于会议系统，链接及二维码如下：

会议系统链接：<https://ncagb2025.scimeeting.cn/>

会议系统二维码：



会务费收取标准为普通会议代表1500元/位，学生会议代表1300元/位。

* 高级会员按同档位的八折（高级会员指有中国畜牧兽医学会高级会员证，并于2025年注册缴费的高级会员）；学生请在注册时提供有效证件，审核通过后方可报名。

1. 本次会议缴费方式为线上支付或现场刷卡支付，线上支付可以在付款时选择微信在线扫码。会前开具发票请联系：高娜13845081639。如有需要使用公务卡的老师，可以通过微信绑定的公务卡进行支付。

2. 已经缴纳会议费的老师，如个人原因不能参加此次会议，**请于2025年7月8日前申请退费。**

3. 会务组财务处将按照代表注册时登记的邮箱分批次推送电子发票，请注意查收，发票内容为“会议费”。

4. 现场签到时，请出示现场签到二维码，由会务统一扫码完成在线签到，办理现场领取物料的程序。

5. 未填写往返出行航班/车次的代表，请填写准确抵离日期，方便大会做好接待工作。

6. 住宿费发票：参会代表自行至酒店前台开具。为减少离店开票等待时间，建议参会代表在会议期间提前至酒店前台录入开票信息，离店时根据实际消费金额开具发票。

十一、会议住宿

会务组在哈尔滨国际会议中心（华旗饭店）周边预订了酒店，具体房型及价格见网站信息（链接及二维码同“注册及费用”），费用自理。由于会议协议酒店房间数量有限，大会住宿线上安排截止到2025年6月30日，费用详见网站信息。

现场预订酒店咨询请联系：

国辉老师：138 3616 7525

住宿费用付款方式按照协议酒店的具体规定完成。

十二、交通指南

本次会议安排接驳车服务。

其中，7月9日接站安排如下：

站点 1：哈尔滨太平国际机场：可接驳抵达太平机场的参会代表；

站点 2：哈尔滨站、哈尔滨西站：设置接待点，引导代表乘坐地铁前往会场；

乘火车抵达其它车站的参会嘉宾，可乘坐地铁自行到达，有特殊需求可与会务组单独联系。

7月12日下午、13日上午 安排机场返程接驳车。

十三、会议联系

1.会议微信群

群名称及号码：更新信息见会议系统（链接及二维码同“注册及费用”）

入群标注：请标注单位、姓名，如“张正-东北农业大学”

2.有关会议注册事宜

联系人：朱泽昊 老师 电话 187 2460 2921

3.学会秘书处

联系人：刘剑锋 老师 电话 137 1807 7060

孙东晓 老师 电话 158 1001 9668

孙从佼 老师 电话 159 1070 7895

4.大会秘书处：

联系人：姚玉昌 老师 电话 136 2450 2776

张 慧 老师 电话 130 8998 7790

主办单位：中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会

承办单位：东北农业大学

