



CWBIO 康为世纪 华大基因 BGI 华大智造 MGI

2023 | 中国遗传学会 第11次全国会员代表大会暨学术交流会

主办单位：中国遗传学会、湖北省遗传学会

承办单位：武汉大学、华中农业大学、杂交水稻全国重点实验室、作物遗传改良全国重点实验室

会议手册

2023年11月27日-30日 中国·武汉





■ 关于康为世纪

江苏康为世纪生物科技股份有限公司（简称“康为世纪”）是一家立足于生命科学和大健康领域，具有自主知识产权的国家高新技术企业。公司于2022年成功登陆上交所科创板（股票代码为688426）。

康为世纪秉承“让每一个生命健康有为”的使命，始终致力于分子检测核心原料酶的自主研发，在分子检测领域积累了丰富的技术研发优势并获得多项专利技术，积极参与了多项国家标准、行业标准和药典的开发和制定，为多个生命科学细分领域提供超过700款创新型产品。核心产品包括多款分子检测核心原料酶、核酸保存、提取和纯化试剂及高通量测序试剂盒等，并积极布局三代测序、核酸质谱、细胞治疗等前沿方向和新兴产业，实现了“核心原料酶+试剂盒+分析仪器+定制服务”的一体化创新解决方案。

康为世纪持续深耕大健康领域，积极投身于消化道疾病和呼吸道传染病的筛查和诊断领域，打造出幽门螺杆菌感染与耐药一体化检测技术平台。实现了分子检测“核心原料酶+试剂盒+检测服务”的一体化布局。公司原研的幽门螺杆菌核酸检测试剂盒，获颁“国家药监局批准三类医疗器械注册证”，称为“幽门螺杆菌粪便核酸检测第一证”。并荣获国家市场监督管理总局、国家标准化委员会评定的2022年中国标准创新贡献奖。

康为世纪产品简介

■ 核酸采集保存试剂

多项核心技术与发明专利，现有产品涵盖不同样本类型，如拭子、唾液、血液、尿液、粪便、组织等。各类保存产品近100种，国内首家获得二类备案名称“一次性使用游离DNA保存管”的公司。

新品上市

CW2691 Blood RNA Storage Tube

采集血液样本简单方便，可在常温条件下稳定保存血液中RNA至少7天不被降解，4℃条件下14天不被降解。

■ 核酸提取

不同纯化方式，包含磁珠法、柱膜法等，涵盖了不同的样本类型，如动物、植物、微生物等。

明星产品

CW2104 GoldHi EndoFree Plasmid Maxi Kit

高效去除内毒素，稳定的高提取得率与纯度！

CW0581 Ultrapure RNA Kit

超纯RNA提取试剂盒，适用于多种动植物和细胞样本

■ PCR/RT-qPCR试剂

Taq聚合酶、热启动酶、逆转录、qPCR、高保真酶等，均具有优异的性能呈现。

明星产品

CW2965 2×Super Pfx MasterMix

高保真、长片段、快速扩增 DNA聚合酶Mix

CW3371 HiFiScript All-in-one RT MasterMix for qPCR

一步法去gDNA逆转录mix，仅需15min

CW3360 SuperStar Universal SYBR Master Mix

多平台通用、高灵敏、高特异快速qPCR mix

■ 生物质控产品

拥有支原体检测试剂盒和CHO残留DNA检测试剂盒，用于各种生物制品的中间品、半成品和成品的相应检测。

明星产品

CW3026 支原体NAT快速检测试剂盒

支持直扩，超便捷，检测种类超过125种，灵敏度高。

CW3027 CHO残留DNA检测试剂盒 (PCR-荧光探针法)

采用Taqman探针法，与其他生物基因组均无交叉反应，最低检测限可以达到fg级别。

■ 高通量建库

针对Illumina、Ion Torrent、MGI等测序平台均有适配试剂，涵盖原料酶、建库试剂盒、文库定量试剂盒等，可根据实际需求自由选择！

新品上市

CW3601 三代纳米孔测序DNA连接法辅助建库试剂盒

主要组成有末端修复酶、用于连接barcode及接头的快速连接酶，通过搭配官方建库试剂盒可实现gDNA和PCR产物等双链DNA的多样本建库测序。



4006-222-360 (免费电话)
service@cwbiotech.com
www.cwbio.com

真正开启 一百美元基因组时代

超高通量

每年完成超过5万例
人全基因组测序

超低成本

人全基因组测序
单例成本低于100美元

超大规模

一站式
“超级测序工厂”

DNBSEQ-T20 X 2

仅用于研究，不用于诊断或者治疗



纳米级分辨率, 厘米级全景视场

Nanoscale resolution Centimeter-level field of view

更高 · 纳米级分辨率

500 nm

更大 · 全景视场

最大可拓展至

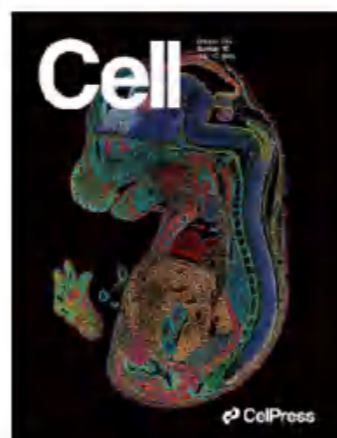
13 cm × 13 cm

更强 · 单细胞水平

细胞核定位 + 算法优化

华大自主研发的时空组学技术Stereo-seq, 是全球领先且能同时实现“纳米级分辨率”和“厘米级全景视场”的原位捕获空间全转录组测序技术。它将认识生命空间的分辨率提高到了500纳米的亚细胞层级, 相比国际同类技术提升了40,000倍, 视野大小提升了400倍。

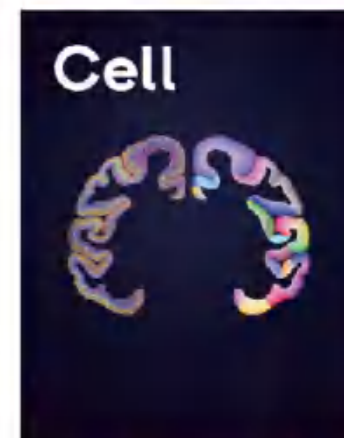
截至2023年10月31日, Stereo-seq已被成功应用到动物胚胎发育、植物发育、脑科学、肿瘤等多个不同领域, 并助力科研团队在CNS等期刊发表文章30余篇, 其中, IF≥10的文章为22篇。



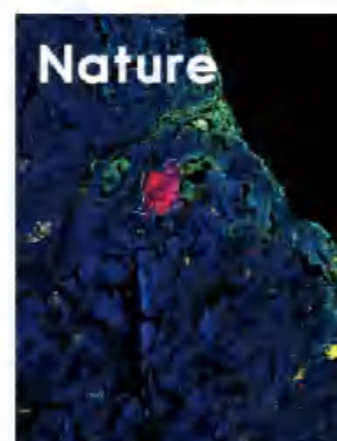
全球首个小鼠胚胎
生命时空全景图谱



全球首个脑再生
时空图谱



全球首个猕猴全脑皮层
三维单细胞图谱



黑色素瘤细胞生长及其
表型异质性时空图谱



肝癌浸润区单细胞
空间图谱



斑马鱼、果蝇、拟南芥
时空图谱



一、会议简介

为促进我国遗传学领域研究人员的交流与合作，推动中国遗传学学科的发展，中国遗传学会第十一次全国会员代表大会暨学术交流会将于2023年11月27-30日在湖北武汉举办。本次会议大会主题为“遗传学：解码生命、赋能经济、引领未来”。本次大会是国内遗传学领域规模最大的高水平学术盛会，特邀请遗传学及相关领域的院士、著名学者、专家、青年才俊和企业家，围绕遗传学及相关领域最新研究进展、发展趋势和难点热点问题开展交流，构建前沿与交叉学术会议体系。大会内容涉及人类与医学遗传学、植物遗传学、动物遗传学、微生物遗传学等多个领域，参会者可在学术、产业、教育、科普等多方面进行交流。

二、会议组织机构

主办单位：中国遗传学会

湖北省遗传学会

承办单位：武汉大学

华中农业大学

杂交水稻全国重点实验室

作物遗传改良全国重点实验室

三、参会须知

1. 报到及领取会议资料

时间：11月27日10:00-22:00；11月28日07:00-10:00

地点：湖北武汉欧亚会展国际酒店一楼大厅。报到点平面图见：一楼平面图。

共设5个报到台，按注册ID号大致分区如下：

报到台1：注册ID号查询台；

报到台2：注册ID号001 - 450参会代表；

报到台3：注册ID号451 - 1100参会代表；

报到台4：注册ID号1101及以后参会代表（1391号后胸牌现场打印）；

报到台5：嘉宾报到台（由对接人员引导）。

华中农业大学和武汉大学的参会代表由各单位会务组另行统一办理报到手续、领取会议资料。

提醒：

(1) 盖章会议通知电子版、会议论文摘要集电子版在资料袋U盘中。

(2) 会议发票：会议提供电子发票，发送到参会者注册邮箱。详情请查阅会议网页“资料下载”页面“中国遗传学会第十一次全国会员代表大会暨学术交流会第二轮会议通知”文档。



酒店一楼平面图

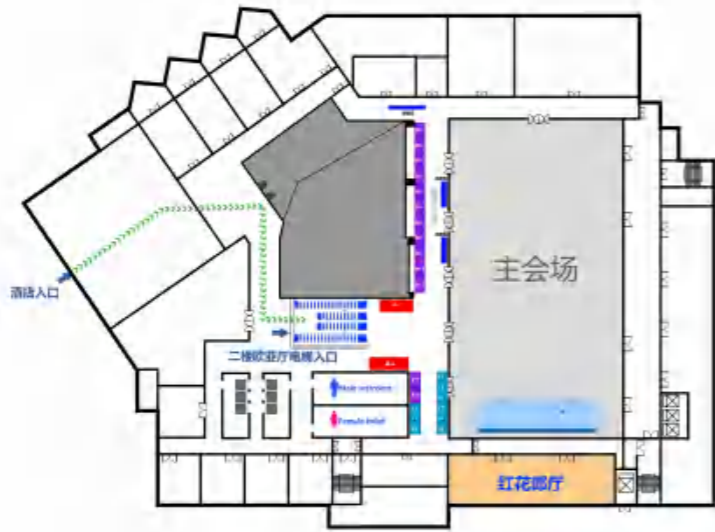
2.会议时间

2023年11月28日全天，29日全天，30日上午。

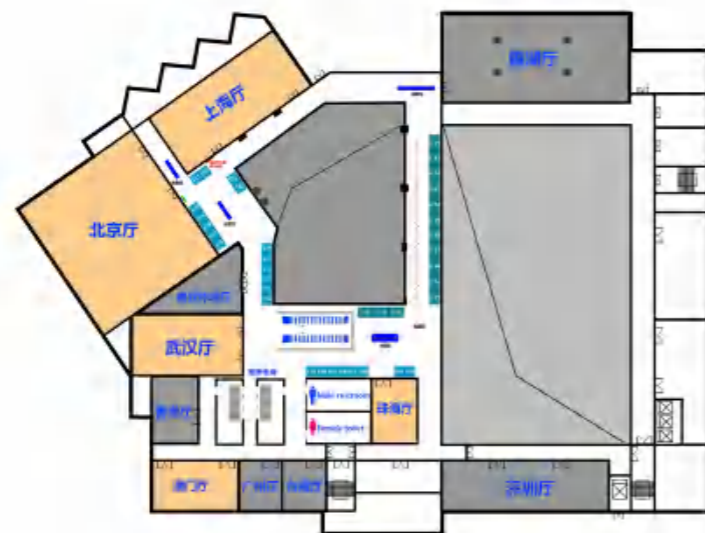
3.会议地点

主会场：湖北武汉欧亚会展国际酒店二楼欧亚厅。

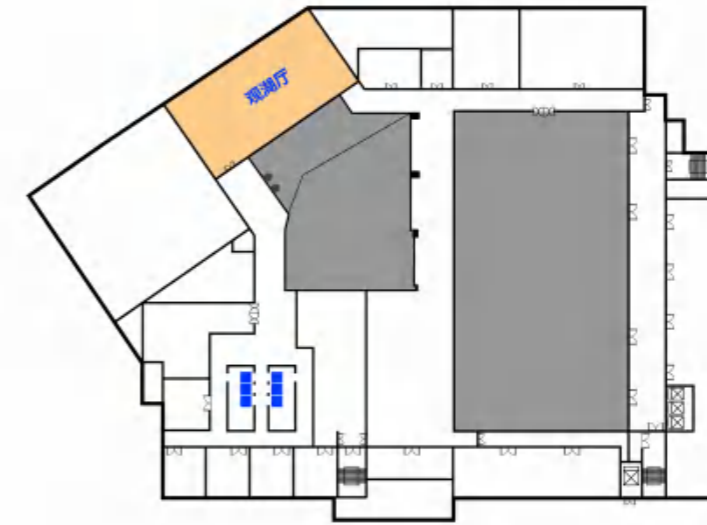
分会场：湖北武汉欧亚会展国际酒店二楼欧亚厅A厅、B厅，红花郎厅，三楼北京厅、上海厅、武汉厅、澳门厅。



酒店二楼平面图



酒店三楼平面图



酒店五楼平面图

4.就餐安排

·早餐：参会代表各住宿酒店。

·午餐、晚餐：会议提供27日晚餐，28-29日中、晚餐以及30日中餐，请参会代表在用餐前扫描胸牌上二维码，在志愿者引导下依照胸牌挂绳颜色到对应的宴会厅就餐（宴会厅见一楼平面图）。分区如下：

红色挂绳胸牌的代表：一楼商务厅。

蓝色等挂绳胸牌的代表：一楼金湖厅，中央大厅。

5.茶歇安排

请参会代表在志愿者指引下有序茶歇。地点包括：二楼公共区域、三楼公共区域等。

6.住宿安排

湖北武汉欧亚会展国际酒店，以及武汉华尔登邑居酒店、丽枫酒店、桔子水晶武汉金银湖酒店等会场周边住宿。

7. 交通安排

(1) 11月27日接站。会务组将为参会代表提供以下服务，请在火车站/飞机场出口跟随志愿者指引到达相应位置（指引牌：中国遗传学会代表大会Logo标志）：

- **天河机场接机时刻表：**11月27日11:00-20:00，每小时一班摆渡大巴；高峰期坐满即走。

天河机场公交地铁：天河机场（B口）进站，乘坐2号线（佛祖岭方向）至常青花园地铁站，换乘6号线（新城十一路方向），到金银湖地铁站C出口下车，步行200米抵达欧亚国际会展酒店。

- **武汉站、汉口站、武昌站**不安排统一接车服务，由志愿者指引至附近地铁站。

武汉站公交地铁：武汉站东广场乘坐5号线（中医药大学方向）至徐家棚地铁站，换乘7号线（横店方向）至香港路地铁站，再搭乘6号线到金银湖地铁站C出口下车，步行200米抵达欧亚国际会展酒店。

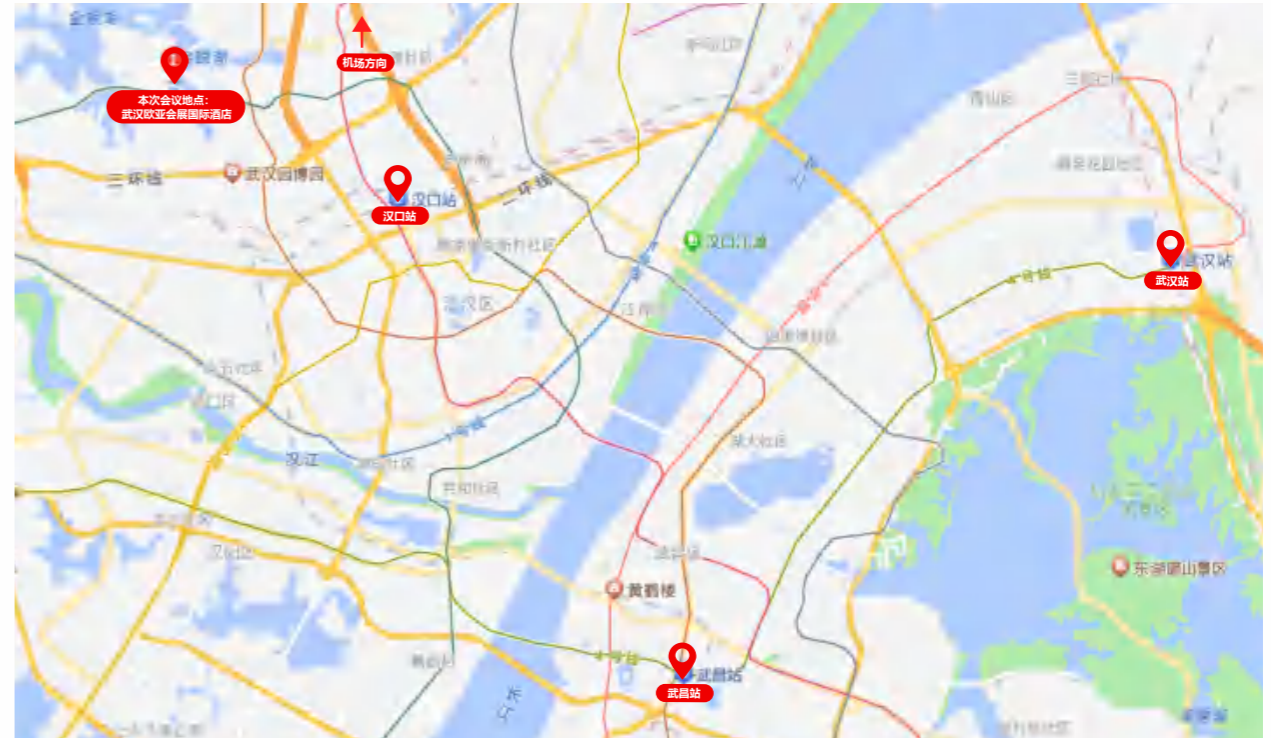
汉口站公交地铁：汉口火车站乘坐2号线（天河机场方向）至常青花园地铁站，换乘6号线（新城十一路方向）到金银湖地铁站C出口下车，步行200米抵达欧亚国际会展酒店。

武昌站公交地铁：武昌火车站乘坐4号线上车（柏林方向），至钟家村地铁站换乘6号线（新城十一路方向），到金银湖地铁站C出口下车，步行200米抵达欧亚国际会展酒店。

提醒：27日会务组安排有欧亚酒店与周边酒店的shuttle bus，每1小时一趟循环，参会代表可先行到达欧亚国际会展酒店报到（或用晚餐），乘坐shuttle bus前往丽枫酒店、桔子水晶酒店和武汉华尔登邑居酒店。

(2) 送站。11月30日13:00，安排大巴集中送参会代表至武汉站、汉口站、天河机场。

交通图附后。



8. 墙报安排

张贴时间：11月28日9:00-13:00。由会务组提供张贴用品，墙报提交人在志愿者引导下对照编号自行张贴。

张贴地点：欧亚会展国际酒店三楼墙报区，见会场三楼平面图。

墙报展时间：11月28日、29日，19:00-21:00。建议提交人在场讲解。

墙报撤除：11月30日会议结束前自行撤除，过时未撤墙报将由会务组销毁。

9. 会务联系

- (1) 交通组：陈荣智，15972013776；李兴旺15927006567
- (2) 住宿组：杨芳，13971400076
- (3) 报到组：李绍清，13554243976
- (4) 餐饮组：李曼铭，13545096052
- (5) 墙报组：张美冬，13871244284
- (6) 会场组：陈香嵩，13387273743；鄢文豪，13628662459
- (7) 安全与医疗：熊萧萧，13339986826；张艳茗，13476214122

10. 会议安全提醒及注意事项

- (1) 请注意个人安全；请在志愿者指引下有序进出会场及各相关场所；保管好您的个人物品。
- (2) 开会时请将手机设置为振动或会议模式。
- (3) 请报告人提前将PPT拷贝至会务组电脑。

四、大会日程安排

时间	事项		
27日	10:00-22:00	报到、现场注册	一楼大厅
	18:00-19:30	晚餐	一楼金湖厅/中央大厅/商务厅
28日上午	07:00-10:00	报到、现场注册	一楼大厅
	08:30-10:00	会员代表大会、青年学术论坛、期刊交流论坛	二楼欧亚厅、三楼上海厅/武汉厅/北京厅
	10:00-10:20	茶歇	二楼、三楼公共区域
	10:20-12:00	会员代表大会、青年学术论坛、期刊交流论坛	二楼欧亚厅、三楼上海厅/武汉厅/北京厅
	12:00-13:30	午餐	一楼金湖厅/中央大厅/商务厅
28日下午	14:00-14:55	大会开幕式	二楼欧亚厅
	14:55-15:55	大会报告	
	15:55-16:15	茶歇	二楼、三楼公共区域
	16:15-18:00	大会报告	二楼欧亚厅
	18:00-19:30	晚餐	一楼金湖厅/中央大厅、三楼银湖厅
28日晚上	19:00-21:00	墙报展	三楼墙报区
29日上午	08:30-10:05	分会报告	二楼欧亚厅A厅/B厅/红花郎厅 三楼北京厅/澳门厅/武汉厅/上海厅
	10:05-10:25	茶歇	二楼、三楼公共区域
	10:25-12:00	分会报告	二楼欧亚厅A厅/B厅/红花郎厅 三楼北京厅/澳门厅/武汉厅/上海厅
	12:00-13:30	午餐	一楼金湖厅/中央大厅/商务厅
29日下午	14:00-15:35	分会报告	二楼欧亚厅A厅/B厅/红花郎厅 三楼北京厅/澳门厅/武汉厅/上海厅
	15:55-16:15	茶歇	二楼、三楼公共区域
	15:55-18:00	分会报告	二楼欧亚厅A厅/B厅/红花郎厅 三楼北京厅/澳门厅/武汉厅/上海厅
	18:00-19:30	晚餐	一楼金湖厅/中央大厅/商务厅
29日晚上	19:00-21:00	墙报展	三楼墙报区
	19:30-21:00	中国遗传学会衰老遗传学分会/三维基因组学分会/细胞遗传学分会成立大会暨第一届专家委员会全体会议	三楼武汉厅/澳门厅、五楼观湖厅
30日上午	08:30-10:00	大会报告	二楼欧亚厅
	10:00-10:20	茶歇	二楼公共区域
	10:20-11:20	大会报告	二楼欧亚厅
	11:20-12:00	大会闭幕式	
	12:00-13:30	午餐	一楼金湖厅/中央大厅
30日下午	14:00	离会	

五、大会报告安排

2023-11-28 星期二						
二楼欧亚厅						
8:30-12:00 会员代表大会						
14:00-18:00 大会开幕式、大会报告						
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人	
	14:00-14:55	大会开幕式				
1	14:55-15:25	多胺：是否是一种植物激素？	李家洋	中国科学院遗传与发育生物学研究所	钱前	
2	15:25-15:55	从多倍体复合种的演化机制解析到精准育种的新突破	桂建芳	中国科学院水生生物研究所		
	15:55-16:15	茶歇				
3	16:15-16:45	卵源因子在胚胎发育中的作用	孟安明	清华大学	李国红	
4	16:45-17:15	肿瘤微环境的异质性	张泽民	北京大学		
5	17:15-17:45	环形RNA的功能与应用	陈玲玲	中国科学院分子细胞科学卓越创新中心		
6	17:45-18:00	Element Biosciences Avidity亲和力和测序——挑战价格、质量、效率的“不可能三角”	胡芳芳	Element Biosciences		
三楼上海厅						
8:30-11:30 青年学术论坛1						
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人	
1	8:30-8:50	面向eQTL的组学数据处理与分析研究	程亮	哈尔滨医科大学	郭婷	
2	8:50-9:10	基于大规模中国人群的新发重症肺炎全基因组关联研究	李元丰	军事医学研究院辐射医学研究所		
3	9:10-9:30	范可尼贫血通路新型调控因子NEIL3在DNA链间交联损伤修复中的作用及机制	李牛	中国福利会国际和平妇幼保健院		
4	9:30-9:50	基于表达和序列嵌入的激酶活性标志位点预测	张梦欢	同济大学		
	9:50-10:10	茶歇				
5	10:10-10:30	BRCA2基因突变在卵巢衰老中的致病性及临床思考	郭婷	山东大学附属生殖医院	程亮	
6	10:30-10:50	CSDE1参与早期神经发生及孤独症样行为的功能机制研究	贾相斌	中南大学		
7	10:50-11:10	基于多模态数据库的人工智能辅助遗传分析及应用体系	徐可欣	北京协和医院		
8	11:10-11:30	开花植物双受精和受精恢复的分子机制	李红菊	中国科学院遗传与发育生物学研究所		

三楼武汉厅						
8:30-11:30 青年学术论坛2						
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人	
1	8:30-8:50	演化医学视角下的灵长类脑进化与脑疾病发生	毛亚飞	上海交通大学	王猛	
2	8:50-9:10	线粒体基因组与东亚人群的起源演化	李玉春	中国科学院昆明动物研究所		
3	9:10-9:30	端粒到端粒(T2T)时代的比较基因组学：来自酿酒酵母的启示	岳家兴	中山大学肿瘤防治中心		
4	9:30-9:50	器粟属高质量基因组图谱揭示着丝粒及染色体动态演化	杨晓飞	西安交通大学		
	9:50-10:10	茶歇				
5	10:10-10:30	深海难培养微生物的特殊生命过程认知	郑日宽	中国科学院海洋研究所	毛亚飞	
6	10:30-10:50	受体激酶FER调控RNA代谢的机制研究	朱思睿	湖南大学		
7	10:50-11:10	弱精子症的遗传致病机理和临床干预	刘春雨	中国福利会国际和平妇幼保健院		
8	11:10-11:30	人参品质的调控新机制及其在生脉散中的协同作用模式	王猛	中国科学院遗传与发育生物学研究所		
三楼北京厅						
8:30-11:50 期刊交流论坛						
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人	
1	8:30-8:55	科学杂志的功能和挑战	于军	中国科学院北京基因组研究所(国家生物信息中心)/Genomics, Proteomics & Bioinformatics 主编	左建儒	
2	8:55-9:10	Publishing at Life Metabolism	黄勋	中国科学院遗传与发育生物学研究所/Life Metabolism 副主编		
3	9:10-9:25	Publishing with Genome Biology	余文静	Genome Biology 科学编辑		
4	9:25-9:40	Publishing with Journal of Genetics & Genomics	张雨田	中国科学院遗传与发育生物学研究所/Journal of Genetics and Genomics 科学编辑		
5	9:40-9:55	PBJ: A reliable and friendly publishing platform for cutting-edge research	金双侠	华中农业大学/Plant Biotechnology Journal 执行主编		
	9:55-10:15	茶歇				
6	10:15-10:30	Seed Biology: 助力种子创新研究	陈立余	福建农林大学/Seed Biology 执行主编	于军	
7	10:30-10:55	青年学者如何为英文期刊审稿	崔晓峰	Molecular Plant 执行主编		
8	10:55-11:10	Publish at STTT	汪文静	四川大学/Signal Transduction and Targeted Therapy 高级编辑		
9	11:10-11:25	JIPB's impact in plant research and submission tips	沈杰	JIPB 执行副主编		
10	11:25-11:50	期刊为谁办? —ZR 和ZRDC 自主发展历程的回顾与思考	姚永刚	中国科学院昆明动物研究所/Zoological Research/Zoological Research: Diversity and Conservation 主编		

五、大会报告安排

2023-11-29 星期三					
二楼欧亚厅A厅					
8:30-12:00 植物遗传学					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	8:30-8:55	植物中的RNA调控	戚益军	清华大学	傅向东
2	8:55-9:20	异源多倍体小麦演化的分子基础	倪中福	中国农业大学	
3	9:20-9:35	When totipotency is at risk due to chromosome loss, genome doubling comes to the rescue – a striking case from a long-term callus culture of the medicinal herb plant ginseng (Panax)	刘宝	东北师范大学	
4	9:35-9:50	多倍化及其对被子植物进化的贡献	焦远年	中国科学院植物研究所	
5	9:50-10:05	全株高蛋白玉米育种的分子遗传基础	巫永睿	中国科学院分子植物科学卓越创新中心	
	10:05-10:25	茶歇			
6	10:25-10:50	植物免疫信号与离子通道研究进展	周俭民	中国科学院遗传与发育生物学研究所	严建兵
7	10:50-11:15	水稻抗旱性遗传解析与抗旱基因挖掘利用	熊立仲	华中农业大学	
8	11:15-11:30	大豆光周期敏感性的分子遗传机制	孔凡江	广州大学	
9	11:30-11:45	基因编辑、基因驯化与作物广谱抗病	李国田	华中农业大学	
10	11:45-12:00	泛素连接酶E3调控水稻稻瘟病抗性的机制研究	王静	四川农业大学	
14:30-18:00 医学遗传学					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	14:30-14:55	家族性渗出性玻璃体视网膜病变致病机制	杨正林	四川省人民医院	曾凡一/邬玲仟
2	14:55-15:20	从发育遗传到胚胎工程的转化探索性研究	曾凡一	上海交通大学	
3	15:20-15:45	三代测序在复杂单基因病筛查和诊断中的应用	邬玲仟	中南大学	
4	15:45-16:10	线立体tRNA核苷酸修饰缺陷和人类疾病	管敏鑫	浙江大学	
	16:10-16:30	茶歇; 卫星会议: WES从设计源头提高罕见病变异检出率 (报告人: 邓中帆, 安捷伦科技(中国)有限公司), 主持人: 郑芳			
5	16:30-16:45	他山之石—美国医学遗传系统介绍	黄涛生	复旦大学	夏昆/许琪
6	16:45-17:00	新生儿基因致病变异遗传发病率队列研究	廖世秀	河南省人民医院	
7	17:00-17:15	神经遗传病新基因的发现及功能鉴定	陈万金	福建医科大学	
8	17:15-17:30	基因编辑及其临床应用	李大力	华东师范大学	
9	17:30-17:45	胚胎染色体嵌合与遗传诊断	闫丽盈	北京大学附属第三医院	
10	17:45-18:00	精确定位复杂性状非编码功能遗传位点	李俊	天津医科大学	

二楼欧亚厅B厅					
8:30-12:00 动物遗传与发育					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	8:30-8:55	类器官在发育遗传和精准医学中应用	林鑫华	复旦大学	刘峰
2	8:55-9:20	细胞命运与力	熊春阳	北京大学	
3	9:20-9:35	龟鳖类发育	葛楚天	浙江万里学院	
4	9:35-9:50	蛇类基因组进化与发育	李家堂	中国科学院成都生物研究所	
5	9:50-10:05	家犬和果蝇为模式动物研究人类重要神经疾病	张永清	中国科学院遗传与发育生物学研究所	
6	10:05-10:20	灵长类进化遗传与发育	吴东东	中国科学院昆明动物研究所	
	10:20-10:40	茶歇			
7	10:40-11:05	Evolving paradigm of hematopoietic stem cell development	刘峰	中国科学院动物研究所/山东大学	林鑫华
8	11:05-11:20	表观遗传与小鼠胚胎干细胞发育	林承棋	东南大学	
9	11:20-11:35	成纤维细胞在心脏损伤修复中的作用	孟庆航	粤港澳大湾区精准医学研究院	
10	11:35-12:00	种业创新发展路径的初探—以崖州湾实验室科研发展定位为例	赵同建	崖州湾国家实验室	
14:00-18:00 前沿与交叉					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	14:00-14:40	Regulation of antiviral and antitumor immunity	舒红兵	武汉大学	田梅
2	14:40-15:10	阿尔茨海默病遗传机制研究	贾建平	北京宣武医院	
3	15:10-15:40	人类表型组时代的核医学新机遇	田梅	复旦大学	
	15:40-16:00	茶歇			
4	16:00-16:30	突变的GGGGCC RNA刺激C9ALS/FTD的WNT/B-CATENIN通路	陈浩然	香港中文大学	杨万能
5	16:30-17:00	猪表型组技术创新与遗传育种研究	赵书红	华中农业大学	
6	17:00-17:30	基于x-CT成像的水稻灌浆过程动态表型解析及可视化研究	胡伟娟	中国科学院遗传与发育生物学研究所	
7	17:30-18:00	作物表型组学技术研发与交叉应用	蒋霞	中国科学院遗传与发育生物学研究所	

五、大会报告安排

三楼北京厅					
8:30-12:00 基因组编辑					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	8:30-8:55	Gene editing and beyond	魏文胜	北京大学	王皓毅
2	8:55-9:20	Targeted insertion with or without donor template for cell and gene therapy	殷昊	武汉大学	
3	9:20-9:35	基因编辑与疾病研究	胥春龙	临港实验室	
4	9:35-9:50	Persistent and precise RNA editing empowered by novel RNA delivery vectors	璩良	复旦大学	
5	9:50-10:05	植物高效引导编辑技术体系的构建	林秋鹏	华南农业大学	
	10:05-10:25	茶歇			
6	10:25-10:50	新型基因编辑技术开发	王皓毅	中国科学院动物研究所	魏文胜
7	10:50-11:15	基因编辑产物的多样性及染色质结构变异的抑制	胡家志	北京大学	
8	11:15-11:30	精准高效碱基编辑工具开发	陈亮	临港实验室	
9	11:30-11:45	精准可预测的CRISPR基因编辑机制研究以及应用	李金环	上海交通大学	
10	11:45-12:00	Development and specificity investigation of precise genome editing systems	靳帅	清华大学	
14:00-18:10 人类遗传与进化					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	14:00-14:25	From genetic associations to genes, mechanisms, and medicine	杨剑	西湖大学	徐书华
2	14:25-14:50	Implication of mutation rate change on human health and evolution	张国捷	浙江大学	
3	14:50-15:05	古DNA与妊娠期糖尿病的遗传机制	金鑫	深圳华大生命科学研究院	
4	15:05-15:20	青铜时代木乃伊冰人奥茨的表型与祖先之谜	王轲	复旦大学	陈学峰
5	15:20-15:35	高原人群适应性进化的遗传学研究	和耀喜	中国科学院昆明动物研究所	
	15:35-15:50	茶歇			
6	15:50-16:15	人类体质表型的遗传基础及其一因多效性	汪思佳	中国科学院上海营养与健康研究所	施鹏
7	16:15-16:40	早发性卵巢功能不全的遗传分析	张锋	复旦大学	
8	16:40-16:55	What you're missing matters - The complete picture of the human genome, finally	蒲子婧	Oxford Nanopore Technologies	李成涛
9	16:55-17:20	A cell cycle-dependent mechanism regulating proper centrosome function and chromosome segregation	陈学峰	武汉大学	
10	17:20-17:45	法庭科学的新利器——尸体微生物	张素华	复旦大学	
11	17:45-18:10	A multi-ancestry polygenic risk score improves risk prediction for coronary artery disease	汪敏先	中国科学院北京基因组研究所(国家生物信息中心)	

三楼澳门厅					
8:30-12:00 微生物与昆虫					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	8:30-8:55	马克斯克鲁维酵母细胞工厂高效合成蛋白的分子遗传基础	吕红	复旦大学	王琳淇
2	8:55-9:20	粉虱与共生菌互作的遗传发育机制	栾军波	沈阳农业大学	
3	9:20-9:35	遗传学解码真菌天然产物的产生和合成机制	尹文兵	中国科学院微生物研究所	
4	9:35-9:50	昆虫微生物组的功能挖掘与蚊虫防控新技术开发	王关红	中国科学院动物研究所	
5	9:50-10:05	CRISPR护卫RNA的普遍性、多能性和应用潜力	李明	中国科学院微生物研究所	
	10:05-10:25	茶歇			
6	10:25-10:50	合作大于斗争：两个共存病毒与其嗜盐古菌宿主间的三国演义	陈向东	武汉大学	王关红
7	10:50-11:15	东方蜜蜂与肠道共生菌协同演化与适应研究	周欣	中国农业大学	
8	11:15-11:30	家蚕的遗传多样性与功能解析	童晓玲	西南大学	
9	11:30-11:45	发掘古菌来源的编程性核酸酶	彭楠	华中农业大学	
10	11:45-12:00	肠道微生物与代谢性疾病	汪锴	北京大学	
14:00-18:00 科普、伦理与教学					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	14:00-14:25	《生命是什么?》——人类探索生命奥秘的里程碑	杨焕明	华大基因	张小为
2	14:25-14:50	医学遗传学课程建设与思考	孙文婧	哈尔滨医科大学	
3	14:50-15:10	遗传学中的自然科普与实施	范雄伟	湖南师范大学	田婵
4	15:10-15:30	师范高校遗传学课程教学的创新探索	孙艳香	廊坊师范学院	
5	15:30-15:50	基础医学整合课程中“遗传学”内容的教学实践与探索	王墨林	山东大学	
	15:50-16:10	茶歇			
6	16:10-16:35	达尔文五年环球航行旅行与进化论学说的创立以及遗传学伦理问题的思考	褚嘉佑	中国医学科学院	周建中
7	16:35-17:00	科普工作核心内涵的理解	曾凡一	上海交通大学	
8	17:00-17:20	科研反哺、育人反馈下的《医学遗传学》教学创新	蔡梦迪	哈尔滨医科大学	肖明杰
9	17:20-17:40	胚胎植入前与后的遗传学诊断现状与未来以及伦理思考	田婵	北京大学	
10	17:40-18:00	寓德育实践于科学教育与科学普及	周建中	中国福利会少年宫	
	19:30-21:00	中国遗传学会三维基因组学专业委员会成立大会暨第一届专委会全体会议			

五、大会报告安排

三楼武汉厅					
8:30-12:00 表观遗传学					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	8:30-8:55	Phase-separated hnRNPK delivers RNA polymerase II from enhancer to promoter	薛愿超	中国科学院生物物理研究所	汤富酬
2	8:55-9:20	Sequential polyadenylation regulated m6A modification and its novel function in mRNA partitioning	周宇	武汉大学	
3	9:20-9:35	Evolutionarily conserved function of polycomb in suppressing mobile genetic elements through licensing Histone expression	王露	中国科学院分子细胞科学卓越创新中心	
4	9:35-9:50	新生RNA修饰和结构的染色质调控功能	任捷	中国科学院北京基因组研究所(国家生物信息中心)	
5	9:50-10:05	The distinct roles of H3K36 dimethylation and trimethylation in DNA double-strand break repair	杜海宁	武汉大学	
	10:05-10:25	茶歇			
6	10:25-10:50	利用单细胞测序技术探索人类发育和疾病的分子机制	汤富酬	北京大学生物医学前沿创新中心	杜海宁
7	10:50-11:15	Pcf11 condensates facilitate piRNA-guided heterochromatin formation via Pol II stalling	俞洋	广州市妇女儿童医疗中心, 优生围产所/中国科学院生物物理研究所(客座)	
8	11:15-11:30	B细胞抗体多样化与碱基编辑	孟飞龙	中国科学院分子细胞科学卓越创新中心	
9	11:30-11:45	Decoding the complexity of epitranscriptome	骆观正	中山大学	
10	11:45-12:00	基因转录机器命运决定的机制研究	陈飞	复旦大学	
14:30-18:10 干细胞与再生医学					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	14:30-14:55	化学重编程技术的建立和应用	邓宏魁	北京大学	王霞
2	14:55-15:20	胚胎发育与基于干细胞的类胚胎发育研究	高绍荣	同济大学	
3	15:20-15:45	脊髓损伤再生修复研究进展	戴建武	中国科学院遗传与发育生物学研究所	
4	15:45-16:00	Macroscopic organ fabrication guided by microscopic cellular motion	顾奇	中国科学院动物研究所	
5	16:00-16:15	单细胞测序解析神经再生胶原支架促进灵长类脊髓损伤修复机制	赵燕南	中国科学院遗传与发育生物学研究所	
	16:15-16:30	茶歇			
6	16:30-16:55	干细胞/生物材料引导子宫内膜功能重建的研究	胡娅莉	南京大学医学院附属鼓楼医院	赵燕南
7	16:55-17:10	人胚胎干细胞来源的功能细胞治疗半月板损伤的研究	陈红	华中科技大学同济医学院附属同济医院	
8	17:10-17:25	Highly reproducible and cost-effective organoid differentiation based on PF-127 assisted spheroid assembly	汪阳明	北京大学	
9	17:25-17:40	TGF-β1通过干扰结肠干细胞的谱系决定驱动溃疡性结肠炎上皮屏障的缺陷	王霞	清华大学	
10	17:40-17:55	角膜屈光手术从减法向加法转变	沈晔	浙江大学附属第一医院	
11	17:55-18:10	一种天然人体生物材料和“医疗垃圾”的再生利用与角膜透镜库建设	蔡枫	镇江雷音再生医学科技有限公司	
	19:30-21:00	中国遗传学会衰老遗传学分会成立大会暨第一届专家委员会全体会议			

三楼上海厅					
8:30-12:00 遗传咨询与分子诊断					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	8:30-8:35	致辞	贺林	上海交通大学	卢大儒
2	8:35-9:00	关于如何建立中国医学遗传实验诊断体系的几点思考	黄涛生	纽约州立大学水牛城分校	
3	9:00-9:25	疾病严重性评估与遗传咨询	沈亦平	美国哈佛大学医学院	
4	9:25-9:40	基因组医学时代出生缺陷与罕见病的精准诊断	王剑	上海交通大学附属国际和平妇幼保健院	秦胜营
5	9:40-9:55	胚胎植入前遗传学检测的遗传咨询	高媛	山东大学附属生殖医院	
6	9:55-10:10	新一代无创产前筛查技术预防出生缺陷	徐晨明	复旦大学附属妇产科医院	
	10:10-10:25	茶歇			
7	10:25-10:50	神经遗传病的基因诊断困境和对策	吴志英	浙江大学附属第二医院	安宇
8	10:50-11:15	高通量生物表征	张经纬	复旦大学生命科学院	
9	11:15-11:30	纳米孔测序用于FSHD的遗传学诊断研究	胡平	南京市妇幼保健院	
10	11:30-11:45	临床诊断为帕金森患者的基因变异谱研究	孙一忞	复旦大学附属华山医院	郁婷婷
11	11:45-12:00	辅助生殖人群的综合性携带者筛查策略和实践	张军玉	同济大学附属上海第一妇婴保健院	
14:30-18:00 生物信息与人工智能					
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人
1	14:30-14:55	浅谈对生物信息大模型的尝试与思考	张学工	清华大学	冉隆科
2	14:55-15:20	基于数据整合对肿瘤微环境的研究	张泽民	北大Biopic	
3	15:20-15:35	调控网络解读遗传变异	王勇	中国科学院数学与系统科学研究院	
4	15:35-15:50	Decoding the genomic landscape of chromatin-associated biomolecular condensates	张勇	同济大学	
5	15:50-16:05	细胞调控图谱的计算解析	高歌	北京大学	
	16:05-16:25	茶歇			
6	16:25-16:50	大数据和人工智能赋能生物医学研究创新	张康	澳门科技大学	高歌
7	16:50-17:15	人工智能与衰老	韩敬东	北京大学	
8	17:15-17:30	脊椎动物中lncRNA 进化和保守性研究	张强锋	清华大学	
9	17:30-17:45	空间多组学技术研发及应用	赵方庆	中国科学院北京生命科学研究所	
10	17:45-18:00	基于人工智能同时对肺结节的良恶性及转移性预测	冉隆科	重庆医科大学	

五、大会报告安排

二楼红花郎厅						
8:30-12:00 产业促进分会生物产业及技术论坛						
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人	
	8:30-8:35	开场：康为世纪董事长 王春香 致辞				
1	8:35-9:05	基于粪便DNA样本的幽门螺杆菌鉴定和耐药检测	焦志军	康为世纪	汪德鹏	
2	9:05-9:35	多组学技术在精准医学的应用	彭智宇	华大基因		
3	9:35-10:05	CGT行业发展趋势浅析及IDT应用解决方案	吴建华	IDT		
	10:05-10:20	茶歇				
4	10:20-10:35	生物计量与生物产业的相互促进与发展	王晶	中国计量研究院	谢小冬	
5	10:35-10:50	遗传病-从基因诊断到基因治疗	卢大儒	复旦大学		
6	10:50-11:05	单细胞外泌体识别和示踪	冀培丰	中科院动物所		
7	11:05-11:20	代谢功能靶向性的单细胞多组学	徐健	中国科学院青岛生物能源与过程研究所		
	11:20-12:00	干细胞及基因编辑的医学转化应用 陈璞 殷浩 陈红 魏君 杨国华	圆桌讨论	干细胞及基因编辑分会		
14:30-18:00 产业促进分会生物产业及技术论坛						
8	14:30-14:45	大平台多组学赋能生命科学研究	彭欢欢	华大智造	杨国华	
9	14:45-15:00	三代测序产业领域的技术与科学创新	汪德鹏	希望组		
10	15:00-15:15	CUT&TAG研发：方法学创新助力生命科学研究	朱化星	近岸蛋白		
11	15:15-15:30	极速准确的个性化靶向测序定制系统在低频变异检测中的应用	吴启家	康测生物		
12	15:30-15:45	临近标记技术在基因信号通路解析中的应用	李阳	伯远生物		
	15:45-16:00	茶歇				
13	16:00-16:15	临床研究全外显子组设计与验证	魏龙刚	安捷伦	安宇	
14	16:15-16:30	基于高通量测序技术的遗传病精准诊断闭环模式探讨	伍健	迈基诺		
15	16:30-16:45	基于全基因组数据BAM文件的变异分析	朱媛媛	贝瑞基因		
16	16:45-17:00	VUS基因突变功能验证的思考与实践	杨国华	百翼生物		
17	17:00-17:15	生物医药成果转化的投资视角	陈锋	笃瑜投资/3551创新基金		
	17:15-18:00	国内外基因组医学临床应用及基因治疗 卢大儒 沈亦平 黄涛生 王剑 安宇	圆桌讨论	医学遗传学分会、基因诊断分会		

五楼观湖厅						
	19:00-21:00	中国遗传学会细胞遗传学分会成立大会暨第一届专家委员会全体会议				
2023-11-30 星期四						
二楼欧亚厅						
8:30-12:00 大会报告、大会闭幕式						
编号	时间	题目	报告人	单位	主持人	
1	8:30-9:00	水稻杂种不育的遗传研究	万建民	中国农业科学院	熊立仲	
2	9:00-9:30	Epigenetics: remember the past & prepare for the future	朱冰	中国科学院生物物理研究所		
3	9:30-10:00	3D genomics and the mechanism of complex genetics in polygenic traits 三维基因组学与多基因性状的复杂遗传学机制	阮一骏	浙江大学		
	10:00-10:20	茶歇				
4	10:20-10:50	为人类的健康发掘黑色稻米的营养宝藏	张启发	华中农业大学	薛勇彪	
5	10:50-11:20	基因组驱动的药物靶点发现	王拥军	首都医科大学		
6	11:20-12:00	大会闭幕式				

企业鸣谢

好酶

好菌

来自新华扬

SUNHY PRODUCES EXCELLENT ENZYMES AND PROBIOTICS



专业的生物酶制剂及微生态制剂服务商

2024年崖州湾国家实验室

2024年崖州湾国家实验室 博士后及青年科学家招收招聘启事



一、崖州湾国家实验室介绍

崖州湾国家实验室是中央管理的新型科研事业单位，位于海南省三亚市崖州湾科技城内。实验室主要承担国家战略科研任务，保障国家粮食安全。根据实验室发展需要，现面向国内外公开招收招聘博士后及青年科学家等优秀科研人才。

二、实验室团队招收岗位简介

科研团队	首席科学家	博士后需求	青年科学家需求	研究方向	联系方式
水稻创新团队	李家洋	5人	3人	1.水稻高产优质、抗病虫害、耐盐碱、旱稻与节水稻的分子机制解析及品种培育；2.水稻秸秆利用与循环农业；3.四倍体野生稻从头驯化。	wanglibing@yzwlab.cn 王老师
野生稻种质资源创新团队	钱前	3人	1-2人	1.野生稻种质资源收集、鉴定与评价；2.野生稻基因组大数据构建；3.野生稻抗病分子机制解析及种质创新；4.野生稻耐盐碱分子机制与种质创新。	pengyoulin@yzwlab.cn 彭老师
生物固氮研究团队	杨维才	6人	1-2人	1.生物信息学或基因组学（固氮比较基因组学）；2.作物微生物联合固氮；3.豆科植物共生固氮机制。	liuhuiru@yzwlab.cn 刘老师
精准设计与智造平台团队	陈凡	15人	4-5人	1.智能大数据方向；2.智能决策育种方向；3.表型组学方向；4.时空组学方向；5.种子鉴定与评价方向。	lvtinghui@yzwlab.cn 吕老师
猪基因组与育种团队	赵书红	5-6人	2-3人	1.智能表型组技术创新与设备研制；2.多组学技术创新与重要性状遗传机制解析；3.高效选育技术创新与新品种/系选育；4.基因编辑育种。	lixin@yzwlab.cn 黎老师
玉米基因组育种团队	严建兵	5-6人	2-3人	1.玉米-病原微生物互作、有益微生物群落功能挖掘与利用、资源高效等复杂性状遗传解析、数据驱动的功能序列从头设计；2.精准靶标示踪代谢组学、玉米基因组育种的理论与算法、玉米单倍体育种技术开发与应用、高通量作物田间表型组技术研发；3.玉米群体改良、耐密优质高产的种质创新与育种应用。	zhangzuxin@yzwlab.cn 张老师
作物抗病机制与技术团队	周俭民	6人	1-2人	1.小麦赤霉病及水稻稻曲病抗性基因的挖掘、利用及机制研究；2.油菜根肿病广谱抗性分子机制研究；3.水稻抗病基因与病原致害因子互作组研究。	yangguangyong@yzwlab.cn 杨老师
肉羊育种团队	韩建林	5-6人	2-3人	1.智能表型组技术创新与设备研制；2.多组学技术创新与重要性状遗传机制解析；3.高效选育技术创新与新品种/系选育；4.基因编辑育种。	lixin@yzwlab.cn 黎老师
农业生物多维组学平台团队	罗杰	10人	2-3人	1.代谢组检测技术开发方向；2.代谢物与生物分子相互作用方向；3.基因编辑和作物育种等方向。	lijiaolong@yzwlab.cn 李老师
油菜创新团队	郭亮	3-5人	2人	1.油菜基因组学和组学研究；2.油菜重要性状基因克隆与功能研究；3.油菜分子育种。	liqingtian@yzwlab.cn 李老师
大豆种子创新团队		5人	2人	1.大豆功能基因组学分析；2.大豆重要农艺性状的遗传解析。	liqingtian@yzwlab.cn 李老师
牛、鸡育种团队		4-8人		1.智能表型组技术创新与设备研制；2.多组学技术创新与重要性状遗传机制解析；3.高效选育技术创新与新品种/系选育；4.基因编辑育种。	lixin@yzwlab.cn 黎老师

三、博士后及青年科学家待遇

- 1.提供先进的实验平台、场所及研究环境；
- 2.博士后、青年科学家工作协议均为3年，可享受以下福利待遇：

招收/聘类别	综合年薪(万元)	科技城E类人才补贴(税前,万元/年)	海南省博士后补贴(万元)	一次性奖励落户/就业(万元)	总计(万元)
博士后	37	8	8	1.5/1.2	53
青年科学家	45-100	8	—	1.5/1.2	53-103

- 1)综合年薪：含工资、福利补贴、单位和个人缴纳的各种税费、餐补、五险一金/二金等；
- 2)科技城E类人才补贴：依据科技城引进人才认定标准，实验室协助申请认定科技城E类人才（具有博士学位者在科技城缴纳社保，可享受税前40万元现金奖励+40万元安居购房补贴），分5年发放，不纳入实验室综合年薪范畴；
- 3)海南省博士后补贴：依据海南省博士后管理办法，实验室协助申请博士后日常经费，税前8万元/年，总计不超过2年，不纳入实验室综合年薪范畴；
- 4)一次性奖励落户/就业：依据科技城相关政策，符合条件的博士后、青年科学家可享受一次性落户奖励1.5万元/就业奖励1.2万元；
- 5.子女入托、入学等按科技城高层次人才待遇执行；
- 6.博士后根据聘期（出站）考核结果，续聘或录用时优先考虑，取得突出成绩的，可直接聘为青年科学家或工作人员，青年科学家可依据表现晋升至更高职级。

四、具体招收招聘详情及其他岗位信息请关注公众号：崖州湾国家实验室



五、咨询联系方式

崖州湾国家实验室人力资源部：产老师
电子信箱：chanjinzhu@yzwlab.cn
通信地址：海南省三亚市崖州区还金路8号

2024年崖州湾国家实验室 联合培养博士研究生专项计划招生启事



一、崖州湾国家实验室介绍

崖州湾国家实验室是中央管理的新型科研事业单位，位于海南省三亚市崖州湾科技城内。实验室主要承担国家战略科研任务，保障国家粮食安全。

二、招生专业及规模

- 1.招生专业：一级学科专业“生物学”、“作物学”、“植物保护”、“畜牧学”、“兽医学”、“农业工程”。
- 2.招生单位：中国科学院大学/中国科学院遗传与发育生物学研究所、华中农业大学等联合招生，授予招生学校学位。
- 3.招生规模：预计招生人数100人左右（以教育部下达招生计划为准）。
- 4.招生类型：全日制学术型博士研究生，全程在海南崖州湾科技城培养。

三、培养优势

- 1.培养特色：采用“导师组”培养模式；直接参与国家重大科研任务。
- 2.学生入学后，提供助研津贴和生活补助5000+元/月、住宿单人、食堂就餐4折、体检免费等保障。
- 3.根据现有政策，毕业后若留在三亚市崖州湾科技城工作，可认定崖州湾科技城E类人才，享受5年40万的人才补贴，40万的安居购房补贴。

四、咨询联系方式

崖州湾国家实验室人力资源部联系人：官老师
电子信箱：guantian@yzwlab.cn
通信地址：海南省三亚市崖州区还金路8号

Qsep系列全自动核酸蛋白分析系统

<gDNA、总RNA完整性分析，高通量测序文库质检，CRISPR，小核酸分析，大片段核酸分析，微卫星标记>

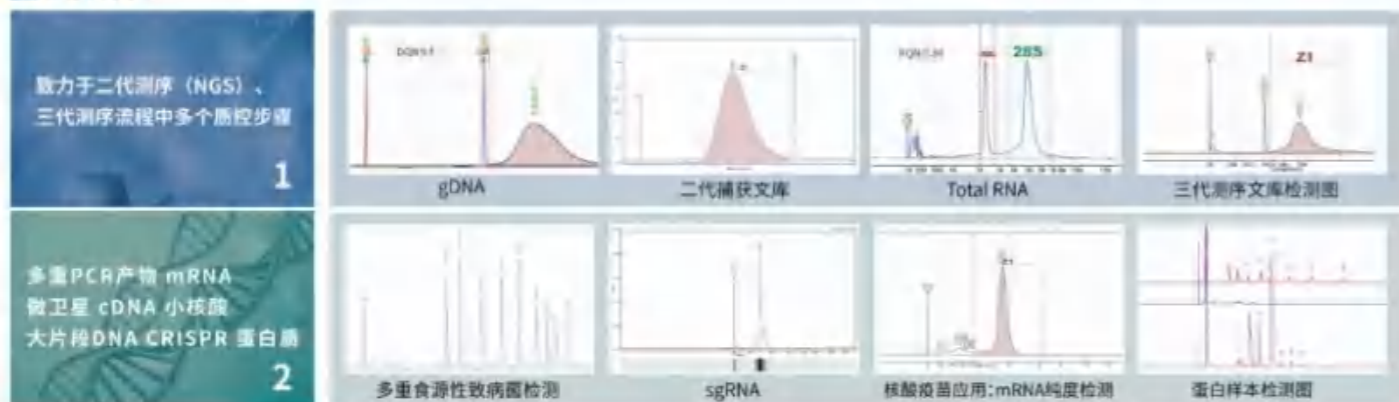


Qsep是拥有不同型号，不同通量，满足不同实验室需求的自动生物片段分析仪（毛细管电泳仪）。毛细管电泳具有分辨率高(500bp内可达1-4bp)、灵敏度高(1pg/ul)、分析时间短、检测范围广(1bp-165kbp(以DNA为例))等优点。Qsep采用预制胶卡夹(包括毛细管，预制胶，染料)，即插即用，无需人工制胶、加染料等，操作简便。除此之外，该系统可以实现1-100个任意个样本检测，无需冻样本，适用于各类现代化中小型到大型实验室。

Qsep配备了完整的硬件和软件，可通过有线或无线进行远程访问操作，也可以使用仪器内置电脑完成仪器操作，节省实验空间。系统应用广泛，提供RNA质量评估值(RQN)和DNA质量评估值(DQN)，除了分析片段大小和浓度外，可进行二代测序和三代测序质检，cfDNA检测，微卫星分析，基因编辑插入、缺失以及sgRNA的检测，mRNA分析，小核酸分析，多重PCR产物分析，多重病原菌检测等；还具有蛋白电泳功能；具有Smear分析，RNA自动标记(18S,28S)等功能。

Qsep不仅可以代替复杂、耗时的凝胶制备和分析程序，而且可以提高分析的准确性，提高效率和重复性，减少人为误差和成本。

应用方向



Qsep系列全自动核酸蛋白分析系统

<gDNA、总RNA完整性分析，高通量测序文库质检，CRISPR，小核酸分析，大片段核酸分析，微卫星标记>

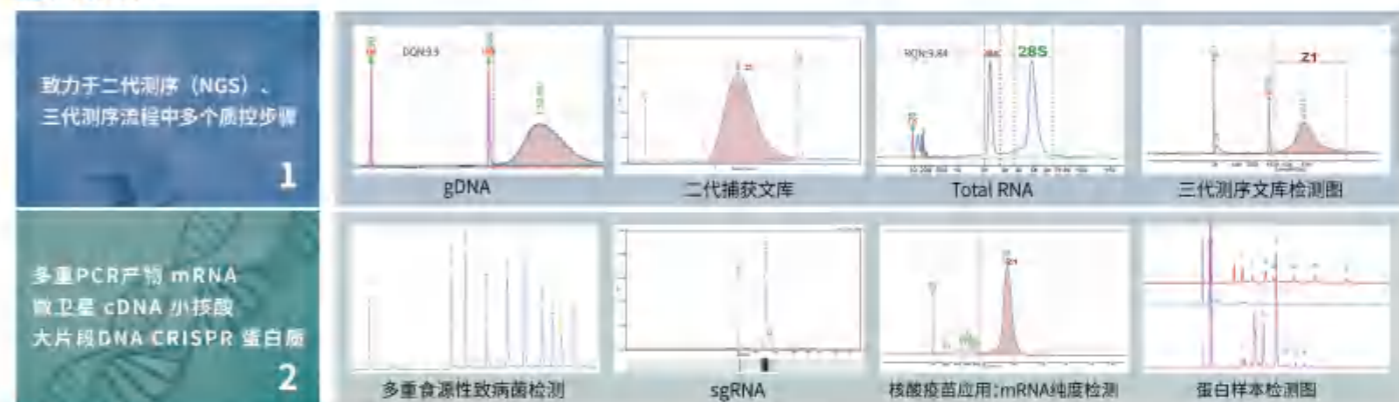


Qsep是拥有不同型号，不同通量，满足不同实验室需求的自动生物片段分析仪（毛细管电泳仪）。毛细管电泳具有分辨率高(500bp内可达1-4bp)、灵敏度高(1pg/ul)、分析时间短、检测范围广(1bp-165kbp(以DNA为例))等优点。Qsep采用预制胶卡夹(包括毛细管，预制胶，染料)，即插即用，无需人工制胶、加染料等，操作简便。除此之外，该系统可以实现1-100个任意个样本检测，无需冻样本，适用于各类现代化中小型到大型实验室。

Qsep配备了完整的硬件和软件，可通过有线或无线进行远程访问操作，也可以使用仪器内置电脑完成仪器操作，节省实验空间。系统应用广泛，提供RNA质量评估值(RQN)和DNA质量评估值(DQN)，除了分析片段大小和浓度外，可进行二代测序和三代测序质检，cfDNA检测，微卫星分析，基因编辑插入、缺失以及sgRNA的检测，mRNA分析，小核酸分析，多重PCR产物分析，多重病原菌检测等；还具有蛋白电泳功能；具有Smear分析，RNA自动标记(18S,28S)等功能。

Qsep不仅可以代替复杂、耗时的凝胶制备和分析程序，而且可以提高分析的准确性，提高效率和重复性，减少人为误差和成本。

应用方向



LightBench®全自动核酸电泳分析回收系统

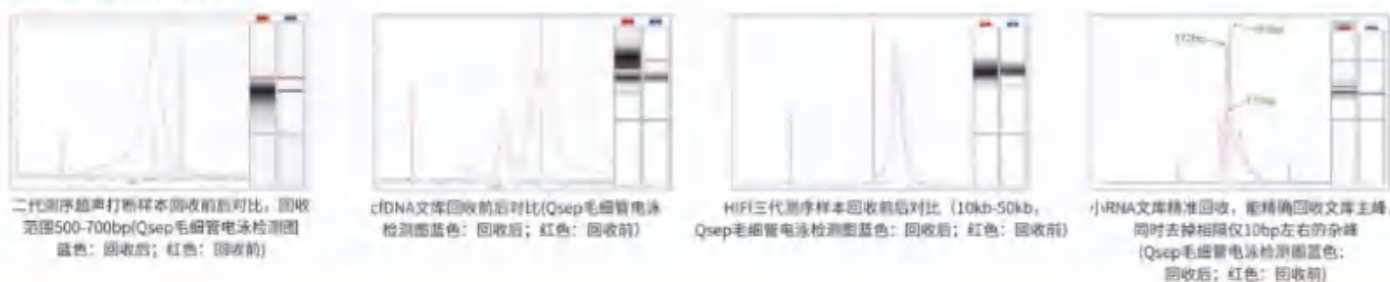
Yourgene LightBench®全自动核酸电泳分析回收系统以Ranger®技术为核心，集电泳图谱分析、片段选择回收、高通量核酸浓度测定(染料法)三种功能为一体，多方面为用户服务。系统还可与NIMBUS Select®工作站集成为一体，使用用户可以在一次运行中完成多达96个样品的分析回收，可回收10bp到基因组大小片段，最佳分辨率达到10bp。LightBench®全自动核酸电泳分析回收系统为DNA条带分析、定量及回收提供了一个自动化的高通量凝胶电泳平台。



产品优势

- 1-12个任意个样本目的片段回收，可整合自动化完成高通量自动化胶回收
- 可对低浓度的ctDNA进行回收
- 支持三代测序文库制备，可以在一个泳道中连续回收10bp-100kb以上DNA大片段
- 20分钟完成96个样本的片段分布分析
- 精准切除非特异性扩增或引物等非目的片段，回收目的片段
- 具备定量功能，5分钟内完成整板定量分析，兼容96孔板和384孔板

部分胶回收结果图



LightBench®全自动核酸电泳分析回收系统

Yourgene LightBench®全自动核酸电泳分析回收系统以Ranger®技术为核心，集电泳图谱分析、片段选择回收、高通量核酸浓度测定(染料法)三种功能为一体，多方面为用户服务。系统还可与NIMBUS Select®工作站集成为一体，使用用户可以在一次运行中完成多达96个样品的分析回收，可回收10bp到基因组大小片段，最佳分辨率达到10bp。LightBench®全自动核酸电泳分析回收系统为DNA条带分析、定量及回收提供了一个自动化的高通量凝胶电泳平台。



产品优势

- 1-12个任意个样本目的片段回收，可整合自动化完成高通量自动化胶回收
- 可对低浓度的ctDNA进行回收
- 支持三代测序文库制备，可以在一个泳道中连续回收10bp-100kb以上DNA大片段
- 20分钟完成96个样本的片段分布分析
- 精准切除非特异性扩增或引物等非目的片段，回收目的片段
- 具备定量功能，5分钟内完成整板定量分析，兼容96孔板和384孔板

部分胶回收结果图

