

广东省医学会

粤医创〔2025〕40号

关于举办 AI 赋能生信数据挖掘及 DeepSeek 辅助课题思路设计培训班（第一期）的通知（第一轮）

各有关单位：

随着人工智能（AI）技术的飞速发展，其应用场景不断拓展并日益丰富，在医学研究领域，当前正经历着从传统的“假设驱动”模式向“数据驱动”模式的深刻转变。凭借对复杂多组学数据的深入分析，研究者得以精准定位具有关键价值的科学问题，极大地加速了科学发现的进程。在此背景下，将 AI 技术与数据挖掘方法有机结合，能够显著提升科研工作者在生信数据挖掘方面的效率，助力优化课题设计方案。为切实帮助医学研究者系统且全面地掌握 AI 技术在科研全流程中的应用，由广东省医学会主办的“2025 年度 AI 赋能生信数据挖掘及 DeepSeek 辅助课题思路设计培训班（第一期）”将于 2025 年 7 月 26 日在腾讯会议平台以线上直播的形式举行，现将相关事宜通知如下：

一、参会对象

培训对象：临床医生、生命科学与医学科研工作者。

二、培训师资

主讲老师：张振华，中山大学博士，华哥生信创始人，目前在东京大学从事医学人工智能大模型研究工作。其在单细胞多组学、空间转录组与机器学习领域深耕 6 年，累计培养学员 3 万余人；指导学员发表 CNS 主刊文章 10 篇、一区及子刊 90 余篇；与院士团队及国际顶尖实验室开展合作，发表 SCI 论文 22 篇（发表刊物涵盖 PNAS、Cell Rep Med、JACS、Mol Cancer、EMBO Mol Med 等国际顶级期刊）。

三、培训内容

（一）DeepSeek 辅助生信课题设计。运用 DeepSeek 平台对大量生信文献进行快速梳理，精准提炼其中的数据分析方向；借助 DeepSeek 挖掘生信多组学数据的研究热点，把握领域前沿动态；利用该平台对生信文章的思路创新性和数据分析可行性进行客观、准确的评价，为课题设计提供关键参考。

（二）AI+生信数据挖掘。详细阐述 AI 技术在公共数据库数据筛选中的应用，提高数据获取效率；运用 AI 辅助使用最新算法，并对多个分析算法进行优化，提升数据分析质量；讲解 AI 在辅助修改数据分析代码、整理转录组、代谢组、蛋白质等多组学数据分析流程以及制定联合分析策略方面的方法和技巧；利用 AI 指导 Bulk 测序、单细胞和空间转录组联合分析及交叉验证的思路；运用 AI 完成生信分析结果的基础画图展示，直观呈现研究成果。

（三）案例演练（上机实操）。

1.运用 DeepSeek 设计分析肿瘤浸润 B 细胞异质性的项目方案，并生成初步代码框架，为后续研究奠定基础。

2.以胰腺癌 Visium 数据为基础，构建 DeepSeek 辅助的空间亚群识别流程，提升对空间转录组数据的挖掘和分析能力。

3.利用 TCGA 表达数据+蛋白质组数据，结合大模型设计一套复发预测策略，探索多组学数据在临床预测中的应用价值。

4.使用大模型挖掘中药靶点预测与现代组学之间的关联分析课题，开拓中药研究与生信技术结合的新思路。

四、时间和方式

（一）时间：7 月 26 日 9:00-17:30；7 月 27 日 9:00-21:30。

（二）方式：腾讯会议线上直播。

（三）培训结业证书：经考核合格者将颁发电子结业证书。

（四）参训人员如因其他临时工作安排无法观看直播课程，可观看录播回放，同时提供一对一指导答疑服务。

五、培训事项

（一）课程要求。

培训以理论培训与实操相结合，侧重软件实操。为保障培训效果，请参训人员于会议前一周内添加工作人员微信（微信号：huagesx），并提前安装课程所需软件。若在软件安装过程中遇到任何问题，可直接电话咨询工作人员。

(二) 费用标准。

培训费用为 800 元/人；团队 ≥ 3 人，600 元/人。费用含课件、上课软件、培训结业证书。请微信扫描下方二维码报名及缴费。



AI辅助论文写作班
报名二维码

(三) 联系方式。

广东省医学会转化部 邱/郑老师 020-81861521

张老师 15623525389 (微信同号)

附件：1.日程安排

2.报名二维码及付款说明



附件 1

广东省医学会 AI 赋能生信数据挖掘及 DeepSeek 辅助
课题思路设计培训班日程安排（线上会议）

主题	时间	课程内容
一、 Deepseek 辅助生信课题设计 (7月26日)	9:00 - 12:00	1.基于 DeepSeek 高效阅读生信文献 2.DeepSeek 从多篇生信文献中快速总结提炼数据分析方向 3.DeepSeek 评价生信文章思路的创新性和数据分析可行性
	14:30 - 15:30	4.DeepSeek 汇总生信论文模板设计的层次和逻辑要点 5.DeepSeek 辅助生信多组学数据研究热点挖掘 6.Deepseek 构建多个公共数据库联合验证有效策略
	15:40 - 17:30	7.DeepSeek 结合你的研究方向帮你设计一篇生信文章的分析内容框架 8.DeepSeek 基于已有生信分析思路和模板进行叠加创新
二、AI+生信数据挖掘 (7月27日)	9:00 - 10:30	1.AI 辅助公共数据库数据筛选 2.AI 指导多个数据集样本分组和不合格样本的剔除 3.AI 辅助最新算法的使用和多个分析算法的优化
	10:30 - 12:00	4.AI 整理转录组、代谢组、蛋白质等多组学数据分析流程和联合分析策略 5.AI 指导 Bulk 测序、单细胞和空间转录组联合分析和交叉验证的思路 6.AI 来做生信分析结果的基础画图展示 7.AI 辅助生信数据分析代码修改
三、案例演练（上机实操） (7月27日)	14:30 - 17:30	1.使用 DeepSeek 设计分析肿瘤浸润 B 细胞异质性的项目方案，并生成初步代码框架
		2.以胰腺癌 Visium 数据为基础，构建 DeepSeek 辅助的空间亚群识别流程
		3.利用 TCGA 表达数据 +蛋白质组，结合大模型设计一套复发预测策略
		4.使用大模型挖掘中药靶点预测与现代组学之间的关联分析课题
		5.国自然标书：输入课题方向 → 生成背景+研究问题+目标 → 设计路线+预测结果 → 输出“AI 辅助生成版”立项依据草案
系统答疑 (7月27日)	19:30 - 21:30	1.针对培训内容进行系统答疑
		2.生信文章思路答疑

注：以上内容可能会有调整，以当天通知为准！

附件 2



AI辅助论文写作班

报名二维码

扫码说明:

1.具体流程如下：注册（若未注册请先用手机号进行注册，并填写个人基本信息、发票信息及接收邮箱等）-个人参会注册-报名参会-普通参会代表（注册金额）-立即提交-填写发票信息和收票人邮箱-立即提交-确认-线上支付-确认支付-支付方式-支付成功。

2.需要刷公务卡的学员，请先在“微信钱包-银行卡栏目”添加公务卡，再进行扫码，确认缴费选线上支付-微信支付-支付方式处选公务卡账号支付。

3.开具发票需提供单位纳税人识别号，否则无法报销。电子发票由省医学会统一发送至邮箱（最迟会后周一发），需自行下载打印用以报销。如邮箱没收到，可扫报名二维码-领取电子发票-自行下载发票。